MERSİN ÜNİVERSİTESİ 1992

MERSİN ÜNİVERSİTESİ

Bilimde Daha İleriye...



Yüksek İmpakt Faktörlü Dergilerde (Q1/Q2) Makale Yazım Teknikleri

Doç. Dr. Muhammad Azhar NADEEM

Biyoteknoloji Bölümü, Fen Fakültesi,
Mersin Üniversitesi, Mersin, 33343, Türkiye

Plant Genomics

Scientific Writing

Research Impact

Q1 Q2

Etkili Yazım

Güçlü Bulgular

Doğru Strateji

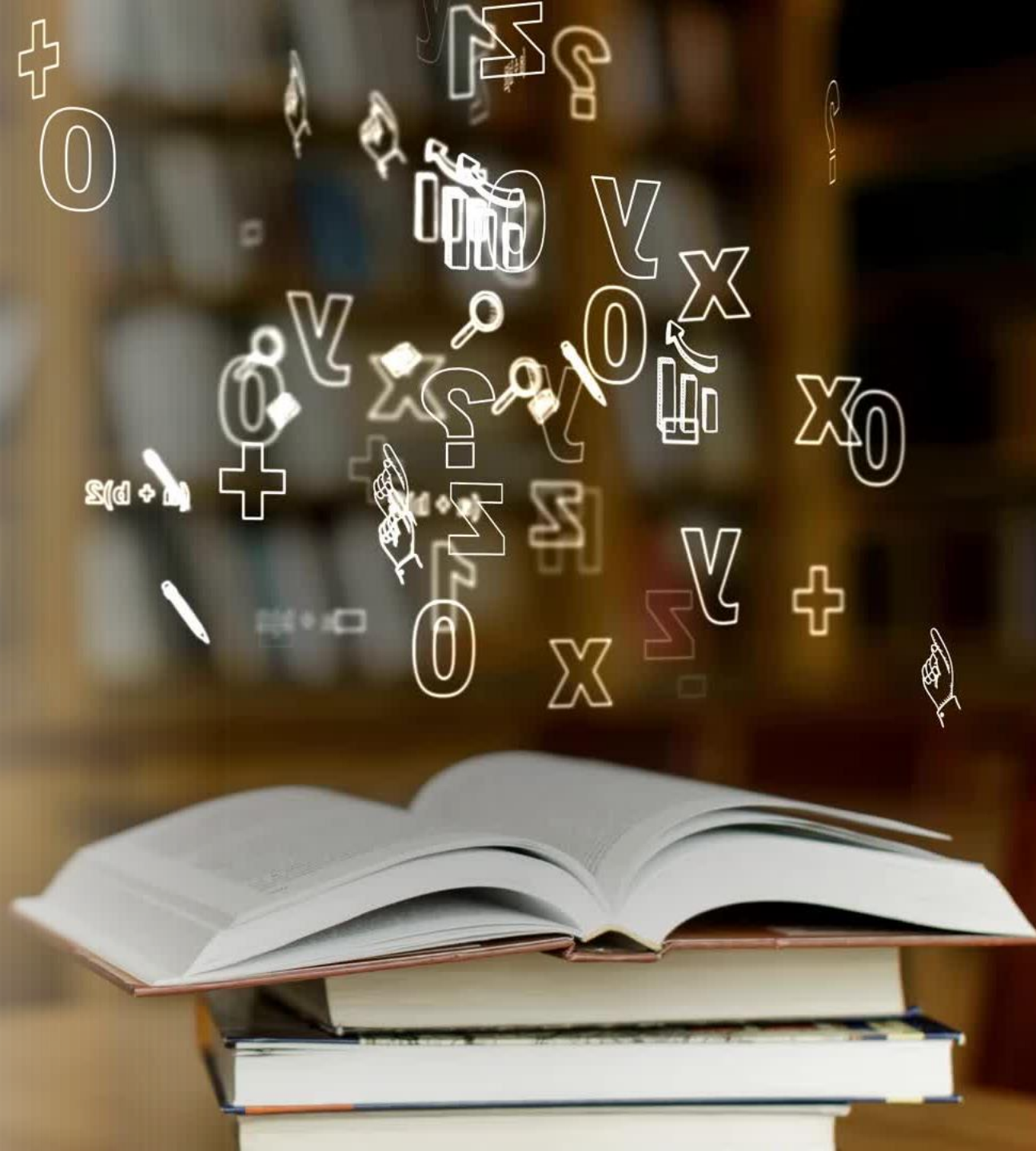
Uluslararası Başarı

İçindekiler

Kısa Biyografi → Başlık, Özet ve Anahtar Kelimeler → Literatür Taraması ve Özgünlük

Akademik Yazımda Yapay Zekâ Kullanımı → Metodoloji ve Veri Sunumu: Kalite Kriterleri → Editoryal ve Hakem Değerlendirme Süreci

Revizyon Süreci: Etkin Yönetim → Q1 ve Q2 Dergilerde Yayın Yapma Stratejileri



Sürdürülebilir Akademik Gelişim ve Kurumsal Kilometre Taşları

2019
Bolu Abant İzzet Baysal Üniversitesi

Ph.D. Derecesi. Tarla Bitkileri. (Odak: Türk fasulye genotiplerinde GWAS ile genomik bölgelerin tanımlanması).

2020
Sivas Bilim ve Teknoloji Üniversitesi

Dr. Öğr. Üyesi kadrosuna atanma.

2023
Ocak - ÜAK

Doçentlik Ünvanı.

Adjunct Professor
Semerkant Devlet Üniversitesi (Özbekistan)

Biyoteknoloji Bölümü (Uluslararası Akademik Entegrasyon).

2025
Mersin Üniversitesi

Doç. Dr. olarak göreve başlama (Devam Ediyor).

Gemini Notebook

Genomik Veriden Tarımsal İnovasyona: Araştırma Metodolojisi

Yeni Nesil Dizileme (NGS)



Bitki genomunun yüksek çözünürlüklü haritalanması ve ham genetik verinin elde edilmesi.

DNA Moleküler Markörleri



Genetik çeşitliliğin (genetic (genetic diversity) ve popülasyon yapısının yüksek doğrulukla tanımlanması.

Genom Çapında İlişkilendirme (GWAS)



İstenen agronomik özellikler ile spesifik genetik bölgeler arasındaki bağlantıların istatistiksel modellemesi.

Markör Destekli Seleksiyon (MAS)



Tahıl ve baklagillerde üstün tarımsal özelliklerin (verim, direnç) hızlı ve hedeflenmiş ıslahı.

Gemini Notebook

Bilimsel Üretkenlik ve Küresel Literatür Etkisi



Derinlemesine uzmanlık: Alanında referans kabul edilen 12+ uluslararası kitap bölümü (Book Chapters).

Gemini Notebook

Proje Yönetimi ve Araştırma Fonu Ekosistemi

Uluslararası Konsorsiyumlar

ERA-NET SusCrop
Sürdürülebilir tarım odaklı Avrupa Birliği ağı

COST-Action
Avrupa Bilim ve Teknoloji İşbirliği

Ulusal Ekosistem (TÜBİTAK & Kurumsal)

TÜBİTAK İleri Düzey Araştırma Programları

- **1001** (Bilimsel ve Teknolojik Araştırma Projeleri)
- **1003** (Öncelikli Alanlar Ar-Ge Projeleri)
- **1007** (Kamu Kurumları Araştırma ve Geliştirme)

Sektörel ve Kurumsal Gelişim

- **TAGEM** (Tarımsal Araştırmalar ve Politikalar Genel Müdürlüğü)
- **Üniversite BAP** (Bilimsel Araştırma Projeleri)

Gemini Notebook

Bilimsel Literatürü Yönlendiren Editoryal Rol ve Sorumluluklar

Springer Nature bünyesinde basılmış
7 uluslararası editörlü kitap.

Küresel Editoryal Etki

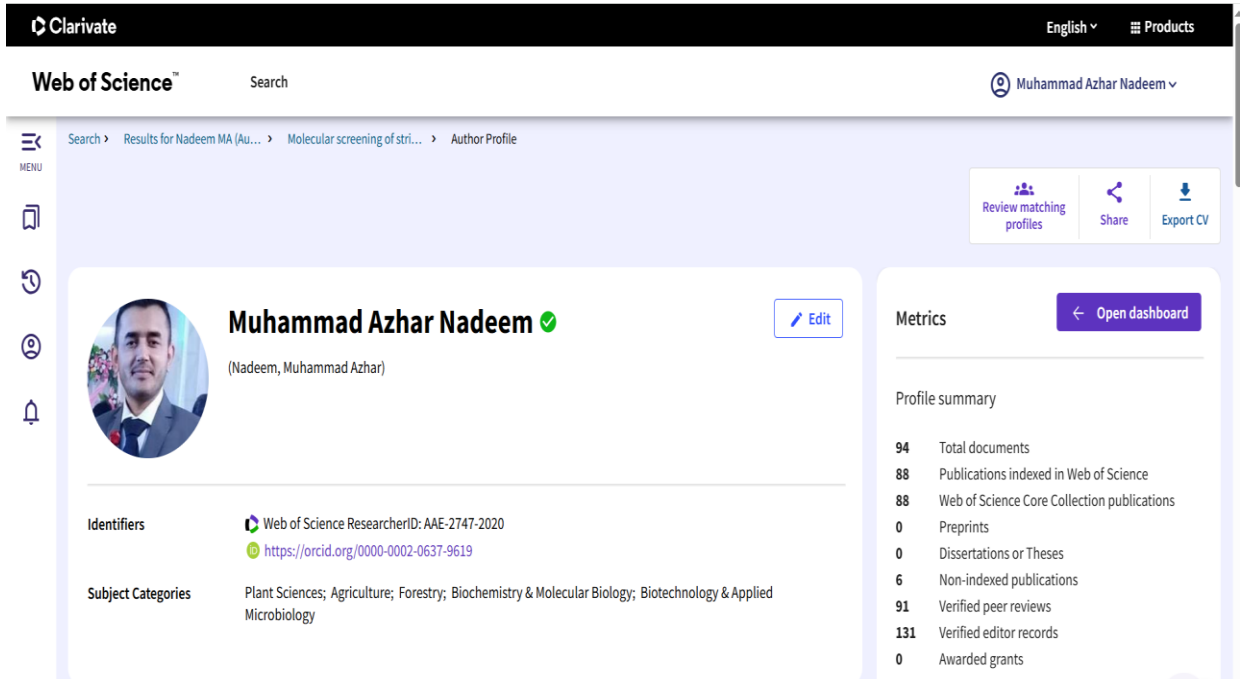
Editorial Board Member

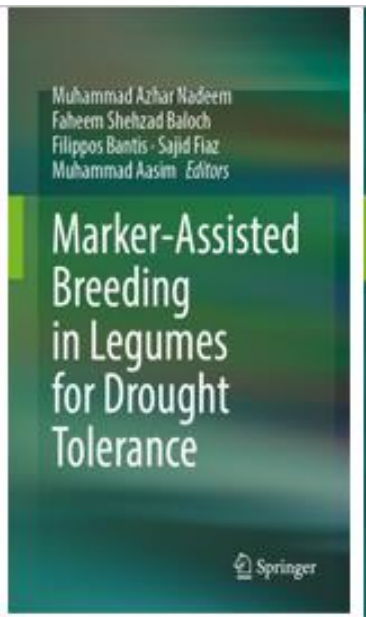
- BMC Plant Biology
- BMC Genomic Data
- BMC Research Notes
- Molecular Biology Reports
- Genetic Resources and Crop Evolution
- Pakistan Journal of Botany

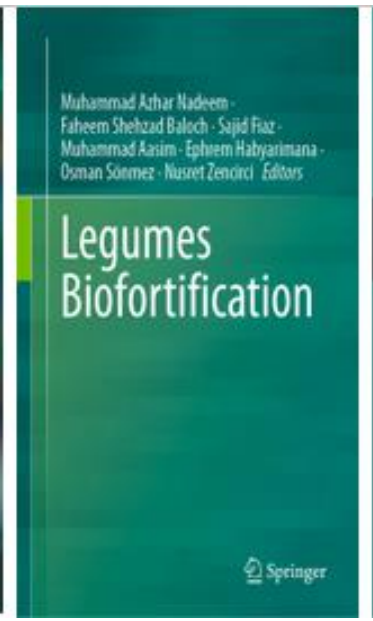
Guest Editor

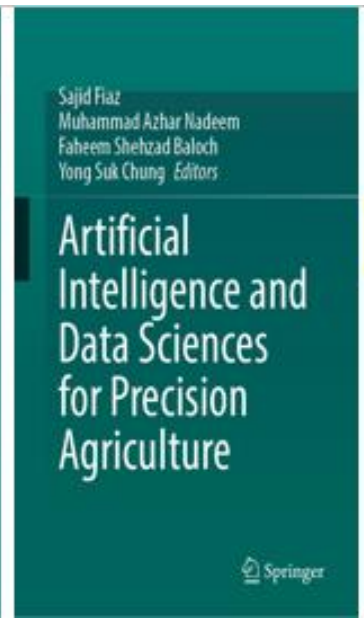
- Plants-Basel
- Agriculture-MDPI
- Molecular Biology Reports

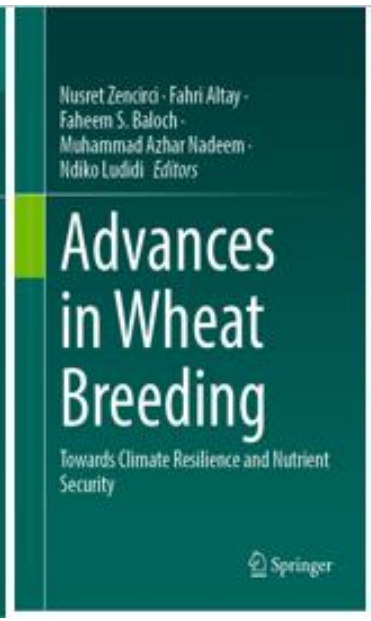
Gemini Notebook

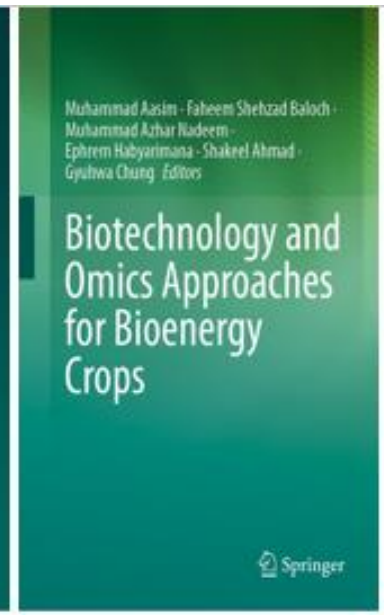

Clarivate
English
Products
Web of Science
Search
Muhammad Azhar Nadeem
MENU
Search › Results for Nadeem MA (Au… › Molecular screening of stri… › Author Profile
Review matching profiles
Share
Export CV
Muhammad Azhar Nadeem
(Nadeem, Muhammad Azhar)
Edit
Metrics
Open dashboard
Profile summary
94 Total documents
88 Publications indexed in Web of Science
88 Web of Science Core Collection publications
0 Preprints
0 Dissertations or Theses
6 Non-indexed publications
91 Verified peer reviews
131 Verified editor records
0 Awarded grants
Identifiers
Web of Science ResearcherID: AAE-2747-2020
https://orcid.org/0000-0002-0637-9619
Subject Categories
Plant Sciences; Agriculture; Forestry; Biochemistry & Molecular Biology; Biotechnology & Applied Microbiology

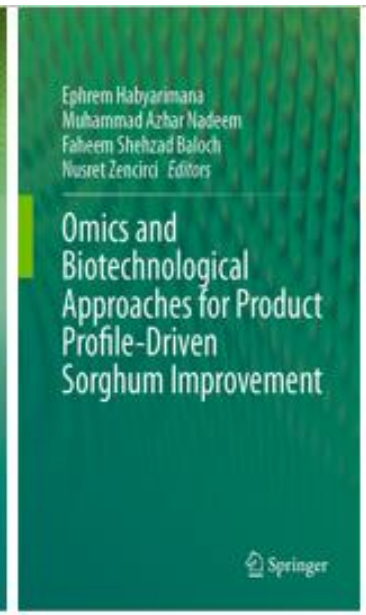

Muhammad Azhar Nadeem
Faheem Shehzad Baloch
Filippos Bantis · Sajid Fiaz
Muhammad Aasim Editors
Marker-Assisted Breeding in Legumes for Drought Tolerance
Springer

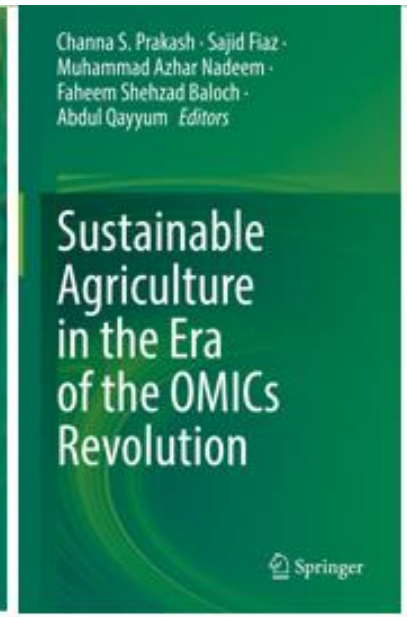

Muhammad Azhar Nadeem ·
Faheem Shehzad Baloch · Sajid Fiaz ·
Muhammad Aasim · Ephrem Habyarimana ·
Osman Sönmez · Nusret Zencirci Editors
Legumes Biofortification
Springer


Sajid Fiaz
Muhammad Azhar Nadeem
Faheem Shehzad Baloch
Yong Suk Chung Editors
Artificial Intelligence and Data Sciences for Precision Agriculture
Springer


Nusret Zencirci · Fahri Altay ·
Faheem S. Baloch ·
Muhammad Azhar Nadeem ·
Ndiko Ludidi Editors
Advances in Wheat Breeding
Towards Climate Resilience and Nutrient Security
Springer

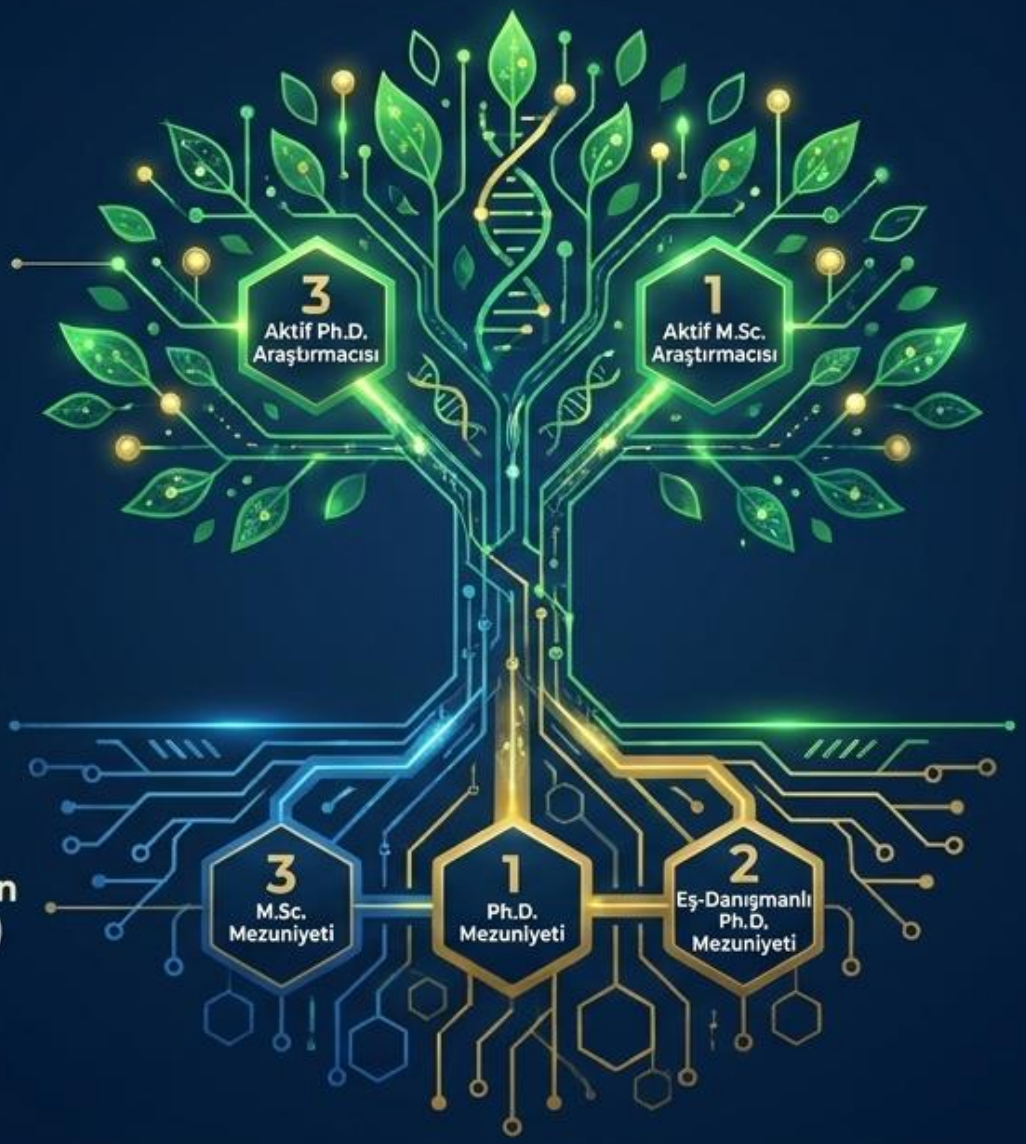

Muhammad Aasim · Faheem Shehzad Baloch ·
Muhammad Azhar Nadeem ·
Ephrem Habyarimana · Shakeel Ahmad ·
Gyuhwa Chung Editors
Biotechnology and Omics Approaches for Bioenergy Crops
Springer


Ephrem Habyarimana
Muhammad Azhar Nadeem
Faheem Shehzad Baloch
Nusret Zencirci Editors
Omics and Biotechnological Approaches for Product Profile-Driven Sorghum Improvement
Springer


Channa S. Prakash · Sajid Fiaz ·
Muhammad Azhar Nadeem ·
Faheem Shehzad Baloch ·
Abdul Qayyum Editors
Sustainable Agriculture in the Era of the OMICs Revolution
Springer

Yeni Nesil Biyoteknoloji Araştırmacılarının Yetiştirilmesi

Devam Eden
(Supervising)



Tamamlanan
(Graduated)

İleri genomik ve MAS metodolojilerinin geleceğin bilim insanlarına aktarılması ve bağımsız araştırma kapasitesi inşası.

Gemini Notebook

Sürekli Zirvede Kalmak: Küresel Tanınma

Stanford University & Elsevier

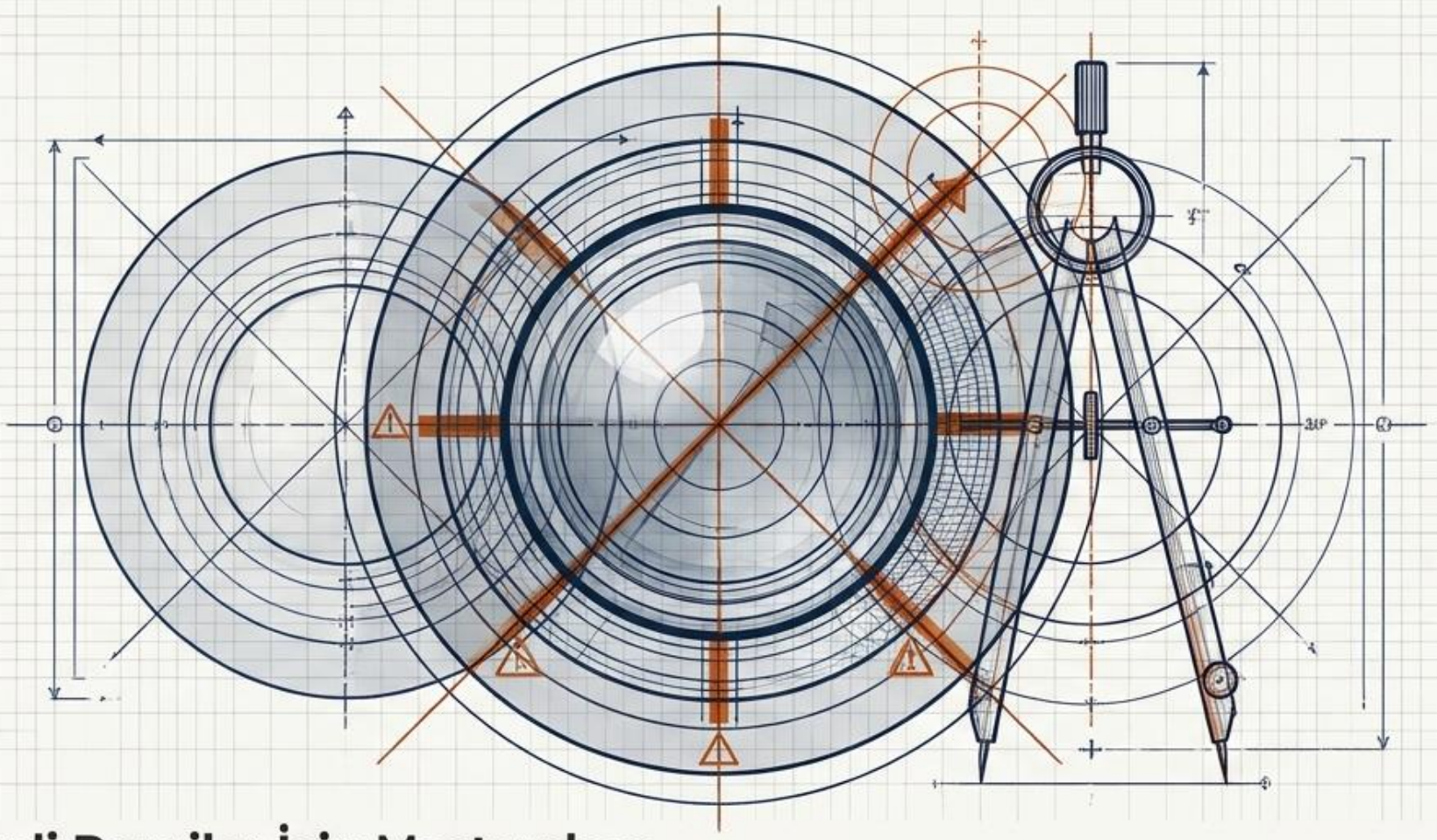
“Dünyanın En Etkili %2 Bilim İnsanı” Listesi



Sadece bir yılın değil, bitki genomikleri alanında ortaya konan sürdürülebilir araştırma vizyonunun ve uluslararası kalitenin tartışmasız kanıtı.

Gemini Notebook


Mersin Üniversitesi
ARAŞTIRMA DEKANLIĞI
YÜKSEK İMPAKT FAKTÖRLÜ DERGİLERDE (Q1/Q2)
MAKALE YAZIM TEKNİKLERİ-2
Bilimsel Yayınlarda Başarı Stratejileri ve Dikkat Edilmesi Gereken Hususlar
Doğru dergi seçimi
Makale yapısı ve etkili yazım teknikleri
Başlık/özet/anahtar kelime konuları
Literatür özeti ve özgünlük
Yapay Zekâ kullanımı
Metodoloji/veri sunumu: Kalite kriterleri
Editör/hakem değerlendirme süreci
Revizyon süreci: Etkin yönetim
Genel stratejiler
Prof. Dr. Faheem Shahzad BALOCH
Fen Fakültesi
Biyoteknoloji Bölümü
Doç. Dr. Muhammad Azhar NADEEM
Fen Fakültesi
Biyoteknoloji Bölümü
11 Kasım 2026
Çarşamba
13.00
Prof. Dr. Uğur ORAL
Kültür Merkezi
B Salonu
Nature Reviews Materials
Chemical Reviews
The Lancet
Nature Reviews Clinical Oncology
Opto-Electronic Science
Advanced Fiber Materials
Q1
Q2



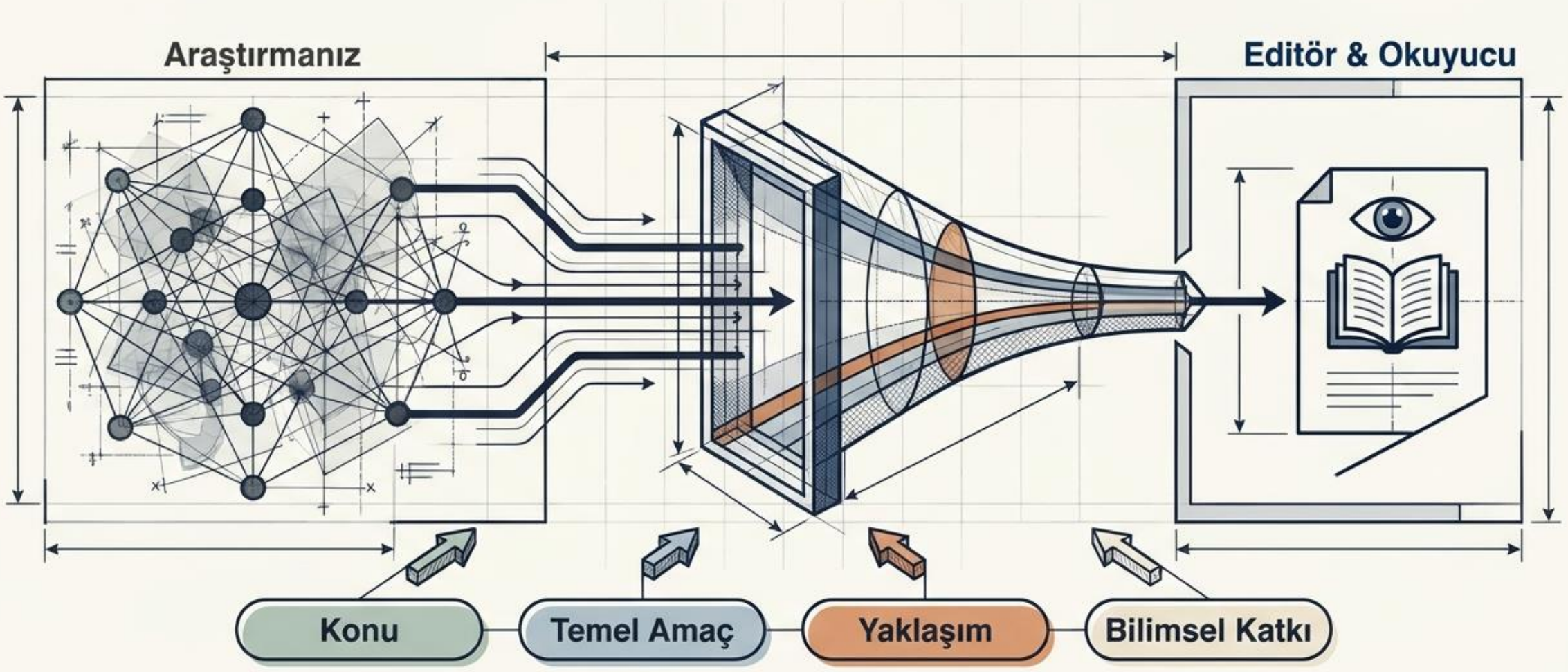
Q1/Q2 İndeksli Dergiler İçin Masterclass

Etkili Makale Başlığı Mühendisliği

İlk İzlenimi Kusursuzlaştırmak İçin Kapsamlı Rehber

İlk Karşılaşma: Makalenizin Vitrini

Makale başlığı, araştırmanızın editör ve okuyucu ile buluştuğu ilk, bazen de tek noktadır.
Güçlü bir başlık; karmaşık fikirleri tek bir cümlede sentezleme sanatıdır.



Akademik Makale Başlığı Yazma Rehberi: İlk İzlenimde Başarıyı Yakalayın

İlk İzlenim



Başlık İlk İzlenimdir

Makalenin en görünür kısmıdır ve okuyucuların devam edip etmeyeceğini doğrudan belirler.

Özellikler

Açık, Öz ve Spesifik Olmalı



Başlık, araştırmanın temel amacını ve ana değişkenlerini net bir şekilde yansıtmalıdır.



Anahtar Kelimeler ve Erişilebilirlik

Arama motorlarında bulunabilirliği artırmak için anahtar kelimeler içermeli, jargondan kaçınmalıdır.

Hatalar

Kaçınılması Gereken Hatalar



Belirsiz ifadeler

Aşırı uzun/karmaşık cümleler

Yaygın olmayan kısaltmalar kullanımından kaçınılmalıdır.

Karşılaştırma

Örnek: Zayıf vs. Güçlü Başlık

Zayıf

Bitkilerin Genetik Analizi

Belirsiz, odaklanmamış.

Güçlü

Genom çapında ilişkilendirme çalışmaları, Türk taze fasulye germplazmında tohum özellikleriyle ilişkili DArTseq lokuslarını ortaya koydu.

Spesifik, yöntem ve değişkenleri içerir, anahtar kelime zengini.



Volume 13, Issue 1, Page 1-6, 2024 https://doi.org/10.46810/tdfd.1266565 Research Article

BİNGÖL UNIVERSITY

Türk Doğa ve Fen Dergisi
Turkish Journal of Nature and Science

www.dergipark.gov.tr/tdfd

Genetic Diversity of *Cucumber mosaic virus* in Cucumber Plants Grown in Diyarbakır Province

(Received: 16.03.2023, Accepted: 19.12.2023, Online Publication: 26.03.2024)



frontiers in Plant Science

TYPE Original Research
PUBLISHED 19 February 2026
DOI 10.3389/fpls.2026.1741618

Check for updates

OPEN ACCESS

EDITED BY
Carla M. R. Varanda,
Research Centre for Natural Resources, Environment and Society (CERNAS), Portugal

REVIEWED BY
Duarte Mendonça,
University of the Azores, Portugal
Adyatma Irawan Santosa,
Gadjah Mada University, Indonesia

*CORRESPONDENCE
Katarina Zečević
katarina.zecevic@agrif.bg.ac.rs

RECEIVED 07 November 2025
REVISED 04 February 2026
ACCEPTED 05 February 2026
PUBLISHED 19 February 2026

CITATION
Zečević K, Teodorović S, Vučurović A, Krstić B, Kovačević D and Stanković I (2026) Population structure and genetic variation of cucumber mosaic virus isolates in Serbia: evidence for high diversity and the occurrence of natural recombinant and reassortant isolates. *Front. Plant Sci.* 17:1741618. doi: 10.3389/fpls.2026.1741618

COPYRIGHT
© 2026 Zečević, Teodorović, Vučurović,

Population structure and genetic variation of cucumber mosaic virus isolates in Serbia: evidence for high diversity and the occurrence of natural recombinant and reassortant isolates

Katarina Zečević[1*], Smilja Teodorović[2], Ana Vučurović[3], Branka Krstić[1], Dušica Kovačević[1] and Ivana Stanković[1]

[1]Institute of Phytomedicine, Department of Phytopathology, University of Belgrade-Faculty of Agriculture, Belgrade, Serbia, [2]Department of Forensic Sciences, University of Criminal Investigation and Police Studies, Belgrade, Serbia, [3]Department of Biotechnology and Systems Biology, National Institute of Biology, Ljubljana, Slovenia

Cucumber mosaic virus (CMV) causes significant economic losses and threatens the sustainable production of many important crops. This study represents the first analysis of CMV genetic diversity and population structure in Serbia, based on all five ORFs from nineteen isolates collected across various hosts and regions. Results of molecular and population genetic investigations revealed high genetic

1 **Leveraging Artificial Intelligence Models to Predict and Validate Nitrogen Fertilizer Effects on Sorghum's**

2 **Morpho-physiological, Yield and Yield Traits**

3

1. Artificial Intelligence-Based Prediction of Nitrogen Fertilizer Effects on Sorghum Growth, Physiology, and Yield
2. Predicting Sorghum Performance under Nitrogen Fertilization Using Artificial Intelligence Models
3. AI-Driven Modeling of Nitrogen Fertilizer Impacts on Sorghum Morpho-Physiology and Yield
4. Machine Learning Approaches for Predicting Nitrogen Fertilizer Responses in Sorghum
5. Integrating Artificial Intelligence to Assess Nitrogen Fertilizer Effects on Sorghum Traits and Yield
6. Data-Driven Prediction of Nitrogen Use Effects on Sorghum Growth and Yield Using AI Models
7. Modeling Nitrogen Fertilizer Responses in Sorghum through Artificial Intelligence Techniques
8. Artificial Intelligence for Predicting Morpho-Physiological and Yield Responses of Sorghum to Nitrogen Fertilization
9. AI-Based Prediction and Validation of Nitrogen Fertilizer Effects on Sorghum Performance
10. Unraveling Nitrogen Fertilizer Impacts on Sorghum Using Artificial Intelligence Models

Altaf *et al. BMC Plant Biology* (2026) 26:617
https://doi.org/10.1186/s12870-026-08434-9

BMC Plant Biology

RESEARCH Open Access

Multivariate analysis and machine learning prediction of Sorghum cultivar traits under nitrogen regulation

Muhammad Tanveer Altaf[1*], Waqas Liaqat[1*], Mehmet Bedir[2], Gönül Cömertpay[3], Seyid Amjad Ali[4], Muhammad Aasim[2], Muhammad Azhar Nadeem[5] and Faheem Shehzad Baloch[5,6]

Abstract

Background Genotypic differences in nitrogen use efficiency strongly influence sorghum growth and yield, highlighting the need for precise and reliable prediction of cultivar responses to nitrogen (N) availability. This study investigates the impact of two N treatments on sorghum cultivars, using artificial intelligence (AI) models for prediction.

Results A randomized complete block design with two treatments: 0 kg N ha^{-1} (0 N) and 238 kg N ha^{-1} (238 N) was used. Six hybrid sorghum cultivars (Gustav, Estyphon, Foehn, Vegga, Aday1 and Beydarı) were evaluated for different traits. Statistical analysis included two-way ANOVA and factorial regression to assess treatment effects. Significant treatment effects were observed. Beydarı and Estyphon exhibited larger stem diameter and leaf area under 238 N, while Aday1 had the smallest values under 0 N. Gustav showed the highest panicle width, panicle weight, and grain yield under 238 N. Stomatal conductance showed an opposite trend, decreasing with N supplementation. Machine learning models, specifically Random Forest (RF) and Light Gradient-Boosting Machine (LightGBM), were used to model the interaction, achieving R^2 values ranging from 0.759 to 0.966 for RF and 0.729 to 0.980 for LightGBM, indicating strong predictive accuracy.

Conclusion LightGBM consistently achieved R^2 values greater than 0.92 for key traits, such as stomatal conductance, panicle width, and grain yield, demonstrating its potential to optimize N management. Gustav performed best under high N, whereas cultivar responses to low N were genotype-specific, captured effectively by the machine learning models. These findings highlight the role of AI models in predicting cultivar performance and supporting sustainable agricultural decisions.

Keywords Chlorophyll fluorescence, SPAD, Stem diameter, Stomatal conductance, Light Gradient-Boosting Machine, Random Forest, Grain yield

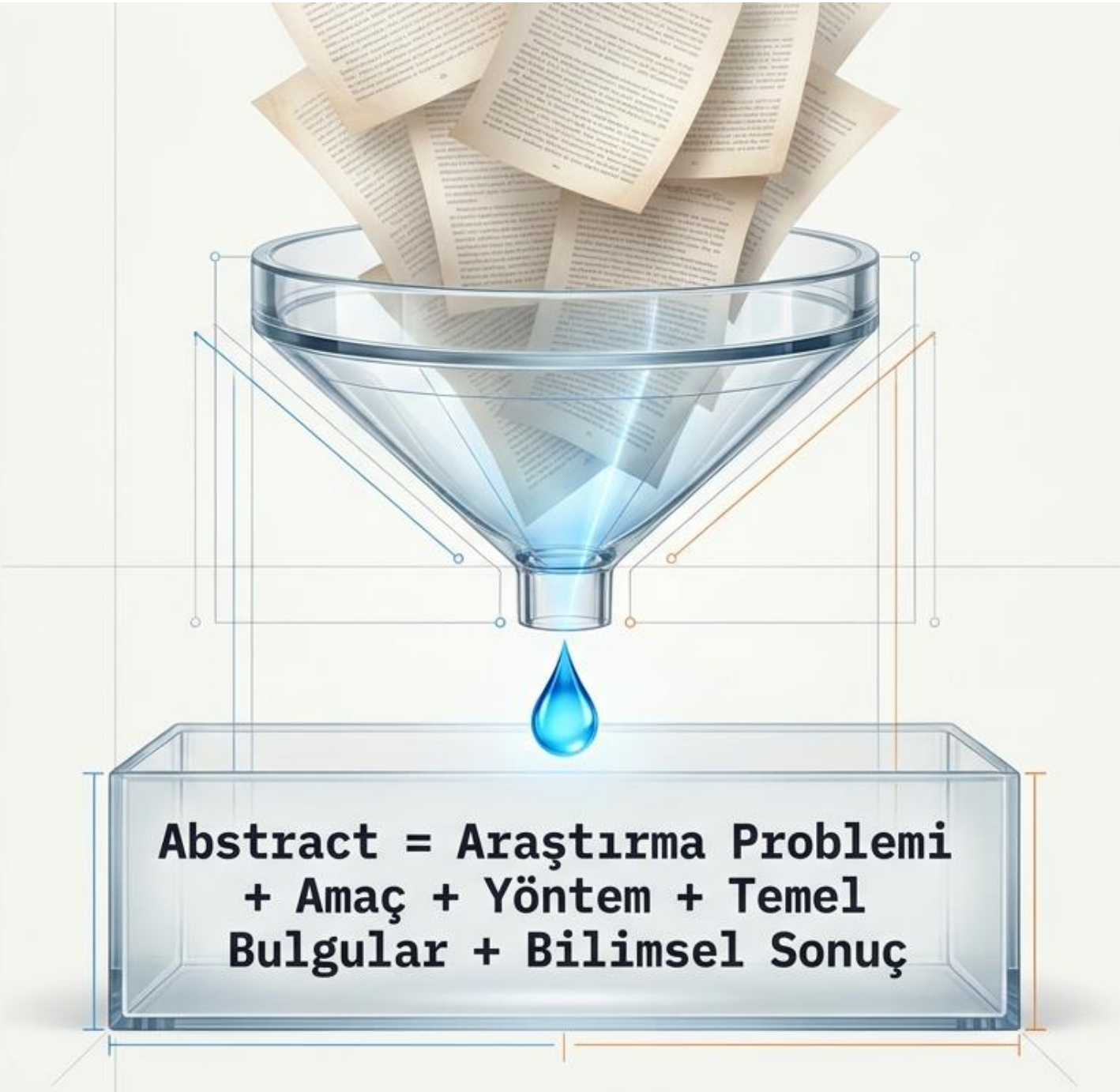


Güçlü Bir Özet (Abstract) Nasıl Yazılır?

Q1/Q2 dergilerde kabul sürecini doğrudan etkileyen, editörler ve okuyucular tarafından ilk — ve bazen tek — okunan bölüm.

Abstract yalnızca bir özet değil, makalenizin karşısındaki ilk sınavıdır

Editörlerin ve okuyucuların araştırmanız hakkındaki ilk değerlendirme noktasıdır. Karmaşık bir çalışmayı odaklanmış bir içgörüye dönüştürmelidir.



Mükemmel bir Abstract inşa etmenin beş temel bileşeni



Kusursuz hassasiyet: Makale türüne göre ideal Abstract uzunlukları



Önemli Not: Bunlar genel akademik standartlardır. Hedef derginin yazar rehberindeki kelime sınırı ve yapılandırılmış özet formatı her zaman en büyük önceliğe sahiptir.

Teşhis Matrisi: Sık yapılan hatalar ve hayat kurtaran doğru yaklaşımlar

Yaygın Hatalar	Doğru Yaklaşım
✗ Çok genel ve geniş bir giriş yapmak.	✓ Doğrudan literatürdeki araştırma boşluğunu belirtmek.
✗ Araştırma amacını okuyucuya belirsiz bırakmak.	✓ Açık, net ve ölçülebilir bir amaç sunmak.
✗ Yöntemleri aşırı detaylandırmak ve teknik boğulma yaşatmak.	✓ Yalnızca araştırmanın bel kemiği olan temel yöntemleri özetlemek.
✗ Bulguları sayısal veriler olmadan, yalnızca metinle sunmak.	✓ En kritik sayısal sonuçları ve istatistikleri doğrudan eklemek.
✗ Makaledeki bütün sonuçları alt alta sıralamak.	✓ Yalnızca hipotezi destekleyen en önemli 2-4 bulguyu seçmek.
✗ Abstract'a makale metninde olmayan yeni bilgiler eklemek.	✓ Yalnızca makalede kanıtlanmış ve sunulan bilgileri kullanmak.
✗ Sonuç bölümünde bulguları tekrar etmek.	✓ Bulguların ötesine geçerek özgün bilimsel katkıyı vurgulamak.



The Morphological Diversity and Fruit Characterization of Turkish Eggplant (*Solanum melongena* L.) Populations

Received: 20.02.2017 ***Accepted: 16.04.2017*** ***Published Online: 29.07.2017*** ***Printed: 31.07.2017***

ABSTRACT

Turkey is one of the most important countries in the world for plant genetic resources and genetic diversity. Genetic resources are characterized by morphological and agronomical traits. There is a need to collect, characterize and evaluate remnants of local populations before they disappear. Morphological characterization is the first stage of the identification and classification of genetic resources. In this study, the aim was to determine the similarities and differences in the morphological variations of the eggplant populations collected from different eco-geographical regions of Turkey. Seventy five populations of eggplant were characterized using standard morphological descriptors specified by the IBPGR. The phenotypic diversity in their fruit characters was also assessed. Cluster and Principal Component Analysis (PCA) was performed to determine the relationships among these accessions and to obtain information on the fruit characteristics for the definition of groups. The principal component analysis showed that the first four principal component axes explained 71.38% of the total multivariate variation. The results demonstrated many differences in fruit traits in the detailed eggplant populations. Clustered into nine groups, a dendrogram was prepared to evaluate the morphological differences among the populations. It revealed a high degree of variation. The results provided information on the diversity, and this identified eggplant genetic resources to be evaluated for the development of new candidate varieties in future breeding activities.

☆ Save 99 Cite Cited by 33 Related articles All 9 versions »

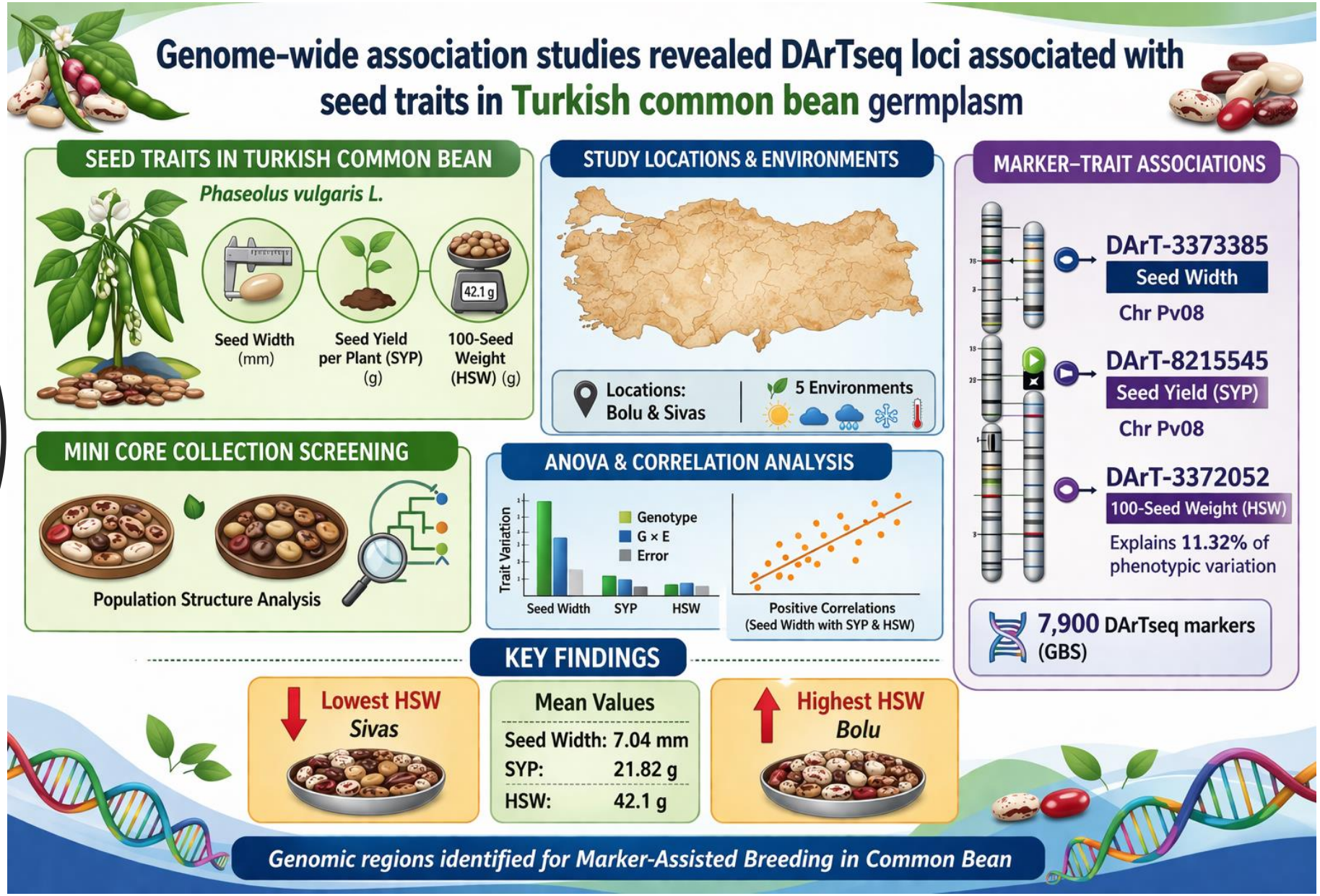
Phenotypic Characterization of 183 Turkish Common Bean Accessions for Agronomic, Trading, and Consumer-Preferred Plant Characteristics for Breeding Purposes

Abstract

Plant landraces represent a repository of a gene pool, local adaptation of their domestic species, and thereby are considered a great source of genetic variations. Such genetic variation can be helpful to mitigate the current and future food challenges. A total of 183 common bean accessions including three commercial varieties collected from 19 Turkish provinces were grown to record their morpho-agronomic variations and to evaluate the best performing accessions under multi-environmental conditions. Plant height, days to maturity, pods weight, seed length, and 100-seed weight were used to evaluate the best performing accessions under different environmental conditions. A wide range of variations for traits like days to maturity (99–161), plant height (21–168.7 cm), seed length (7.41–16.4 mm), seeds per plant (17.8–254.4), and 100-seeds weight (24.97–73.8 g) were observed and can be useful for breeding purposes. The analytic results derived from the first three eigenvectors suggested that plant height, plant weight, 100-seed weight, and days to flowering were biologically significant bean traits. Seed yield per plant was positively and significantly correlated with plant weight and pods weight. Genotype × environment biplot discriminated the studied common bean accessions based on their plant height and growth habit. Plant height, days to maturity, seed width, and first pod height were found highly heritable traits and were least affected by environmental forces. Among 19 provinces, accessions of Bilecik showed maximum pods per plant, seed yield per plant and 100-seed weight, while Erzincan and Sivas provinces reflected the prevalence of bushy and early maturing accessions. Information provided herein comprehensively explored the occurrence of genotypic variations which can be used for the development of candidate varieties responding to breeder, farmer, and consumer preferences.

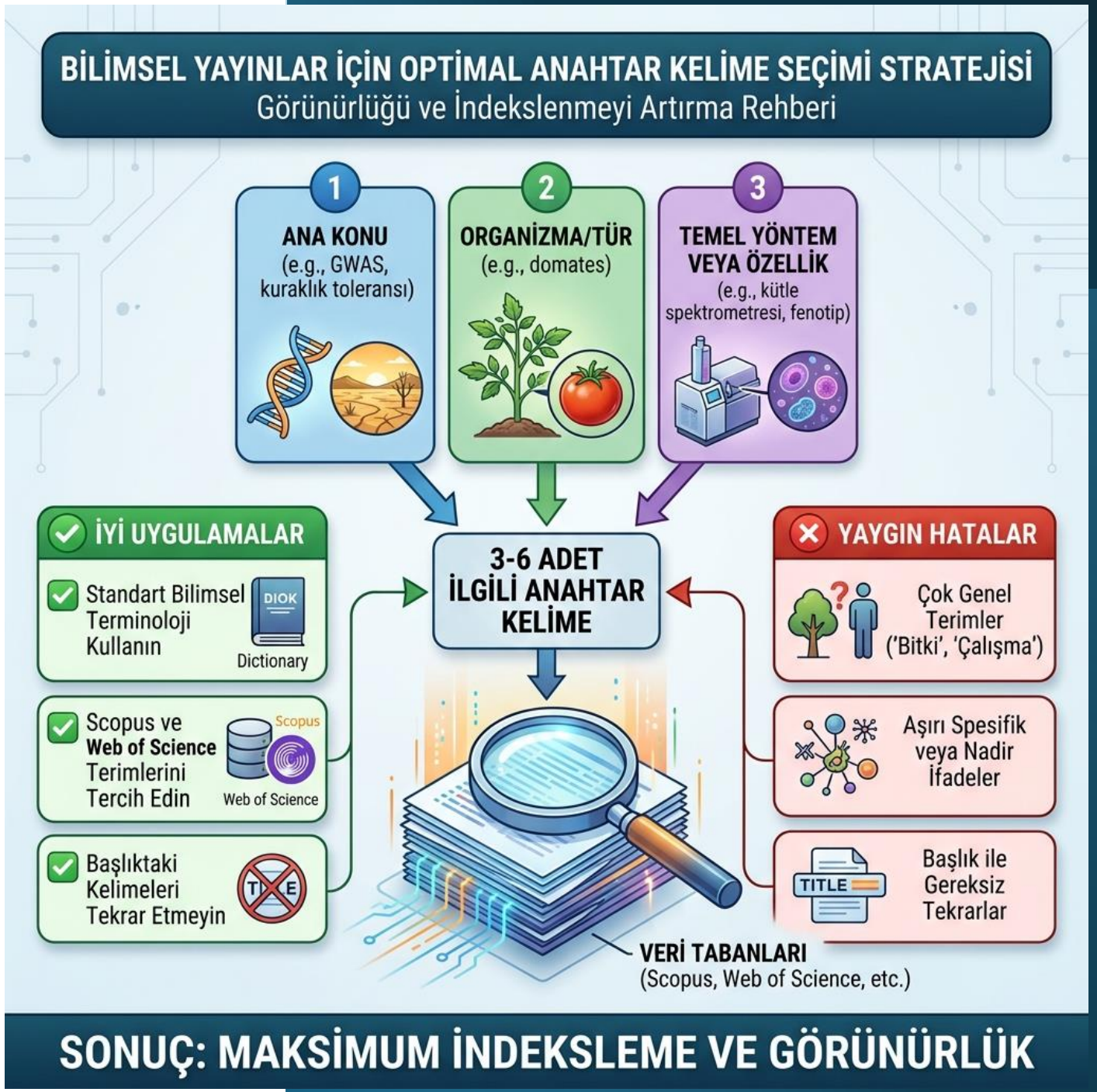
☆ Save 99 Cite Cited by 94 Related articles All 16 versions Web of Science: 56 »

Graphical Abstract



BİLİMSEL YAYINLAR İÇİN OPTİMAL ANAHTAR KELİME SEÇİMİ STRATEJİSİ

Görünürlüğü ve İndekslenmeyi Artırma Rehberi



SONUÇ: MAKSİMUM İNDEKSLEME VE GÖRÜNÜRLÜK

TÜBİTAK

Turkish Journal of Agriculture and Forestry

http://journals.tubitak.gov.tr/agriculture/

Research Article

Turk J Agric For
(2023) 47: 479-496
© TÜBİTAK
doi:10.55730/1300-011X.3103

Genome-wide association studies revealed DArTseq loci associated with seed traits in Turkish common bean germplasm

Muhammad Azhar NADEEM, Faheem Shehzad BALOCH*

Faculty of Agricultural Sciences and Technologies, Sivas University of Science and Technology, Sivas, Turkey

Received: 08.02.2022 • **Accepted/Published Online:** 27.03.2023 • **Final Version:** 28.08.2023

Abstract: Seed traits are very important agronomic traits that contribute significantly into crop yield and are considered useful indicators to monitor the inheritance of quantitative traits influenced by genotype and environmental conditions. To investigate genomic regions useful for breeding high-yielding and highly nutritious common bean (*Phaseolus vulgaris* L.) cultivars, a mini core collection of Turkish common bean germplasm was screened under five environments and two locations for seed traits (seed width, seed yield/plant (SYP), and hundred seed weight). The results of analysis of variance (ANOVA) across the environments revealed significant effects of genotypes and genotype by environment interaction (G × E) for all studied traits except hundred seed weight (HSW), where G × E was found nonsignificant. During this study, mean seed width, SYP, and HSW were 7.038 mm, 21.815 g, and 42.1 g, respectively. Pearson's correlation coefficient revealed a significant and positive correlation ($p = 0.01$) of seed width with SYP and HSW. At the provinces level, minimum and maximum HSW was reflected by Elazığ and Bolu provinces, respectively. Studied germplasm was grouped into two populations in constellation analysis based on their HSW. A total of 7900 DArTseq markers identified through genotyping by sequencing (GBS) were used for the investigation of marker-trait association. DArT-3373385 marker present on chromosome Pv08 showed a significant association for seed width. DArT-8215545 marker showed a significant association for SYP and this marker was also present on chromosome Pv08. A total of four DArTseq markers were determined to be associated with HSW, and DArT-3372052 contributed maximum (11.32%) to phenotypic variations. We believe that the reported genomic regions will be helpful for future marker-assisted breeding regarding yield-related traits in common bean.

Key words: Phaseolus vulgaris, seed width, yield/plant, 100-seed weight, GWAS

TÜRK
TARIM ve DOĞA BİLİMLERİ
DERGİSİ

TTDB
www.dergipark.gov.tr/turkjans

TURKISH
JOURNAL of AGRICULTURAL
and NATURAL SCIENCES

Research Article

Genetic Diversity Analysis of Aydın/Turkey *Dittrichia viscosa* (L). Greuter (Asteraceae) Populations Using RAPD Markers

Turkish Journal of Agricultural and Natural Sciences, 2019 - dergipark.org.tr

In this study, we performed a genetic diversity using RAPD markers for some Dittrichia viscosa populations grown in the Aydın region of Turkey. Total genomic DNA isolation from the leaves of Dittrichia viscosa was performed using commercial kit. eight RAPD primers were used to determine genetic diversity among populations. Polymerase Chain Reaction (PCR) was performed with all DNA samples and primers with ability of scoreing Band. PCR products were run in agarose gel and visualized under UV light. They scored as

SHOW MORE

☆ Save 99 Cite Cited by 2 Related articles All 5 versions »

Received: 27.07.2018 Received in Revised: 07.02.2019 Accepted: 12.02.2019

Abstract

In this study, we performed a genetic diversity using RAPD markers for some *Dittrichia viscosa* populations grown in the Aydın region of Turkey. Total genomic DNA isolation from the leaves of *Dittrichia viscosa* was performed using commercial kit. eight RAPD primers were used to determine genetic diversity among populations. Polymerase Chain Reaction (PCR) was performed with all DNA samples and primers with ability of scoreing band. PCR products were run in agarose gel and visualized under UV light. They scored as there were bands (1) and no bands (0) at all gel images and their files were created. A total of 50 characters were obtained from the primers. Phylogenetic relationships and genetic distances between the cultivars were calculated by using the PAUP* 4.0b10 analysis program. According to the PAUP data, the closest genetic distance was determined 0.20000 and between Central and İncirliova populations, the most distant genetic distance were determined 0.36842 between İncirliova and Koçarlı populations. In the phylogenetic analysis has been obtained using UPGMA algorithms and phylogenetic tree consist of two clades. The results also propose that RAPD markers are useful tools for indicating genetic relationships among *Dittrichia viscosa* populations.

Key words: *Dittrichia viscosa*, RAPD, genetic diversity, Turkey.

Open Access Editor's Choice Article

Phenotypic Characterization of 183 Turkish Common Bean Accessions for Agronomic, Trading, and Consumer-Preferred Plant Characteristics for Breeding Purposes

by Muhammad Azhar Nadeem [1], Tolga Karaköy [2], Mehmet Zahit Yeken [1], Ephrem Habyarimana [3], Ruştu Hatipoğlu [4], Vahdettin Çiftçi [1], Muhammad Amjad Nawaz [5], Ferit Sönmez [6], Muhammad Qasim Shahid [7], Seung Hwan Yang [8], Gyuhwa Chung [8,*] and Faheem Shehzad Baloch [1,*]

Abstract

Google Scholar — Phenotypic characterization of 183 Turkish common bean accessions for agr

Articles

Any time
Since 2026
Since 2025
Since 2022
Custom range...

Sort by relevance
Sort by date

Any type
Review articles

include patents
include citations

[HTML] Phenotypic characterization of 183 Turkish common bean accessions for agronomic, trading, and consumer-preferred plant characteristics for breeding ...
MA Nadeem, T Karaköy, MZ Yeken, E Habyarimana, R Hatipoğlu, V Çiftçi, MA Nawaz...
Agronomy, 2020 - mdpi.com

Plant landraces represent a repository of a gene pool, local adaptation of their domestic species, and thereby are considered a great source of genetic variations. Such genetic variation can be helpful to mitigate the current and future food challenges. A total of 183 common bean accessions including three commercial varieties collected from 19 Turkish provinces were grown to record their morpho-agronomic variations and to evaluate the best performing accessions under multi-environmental conditions. Plant height, days to

SHOW MORE

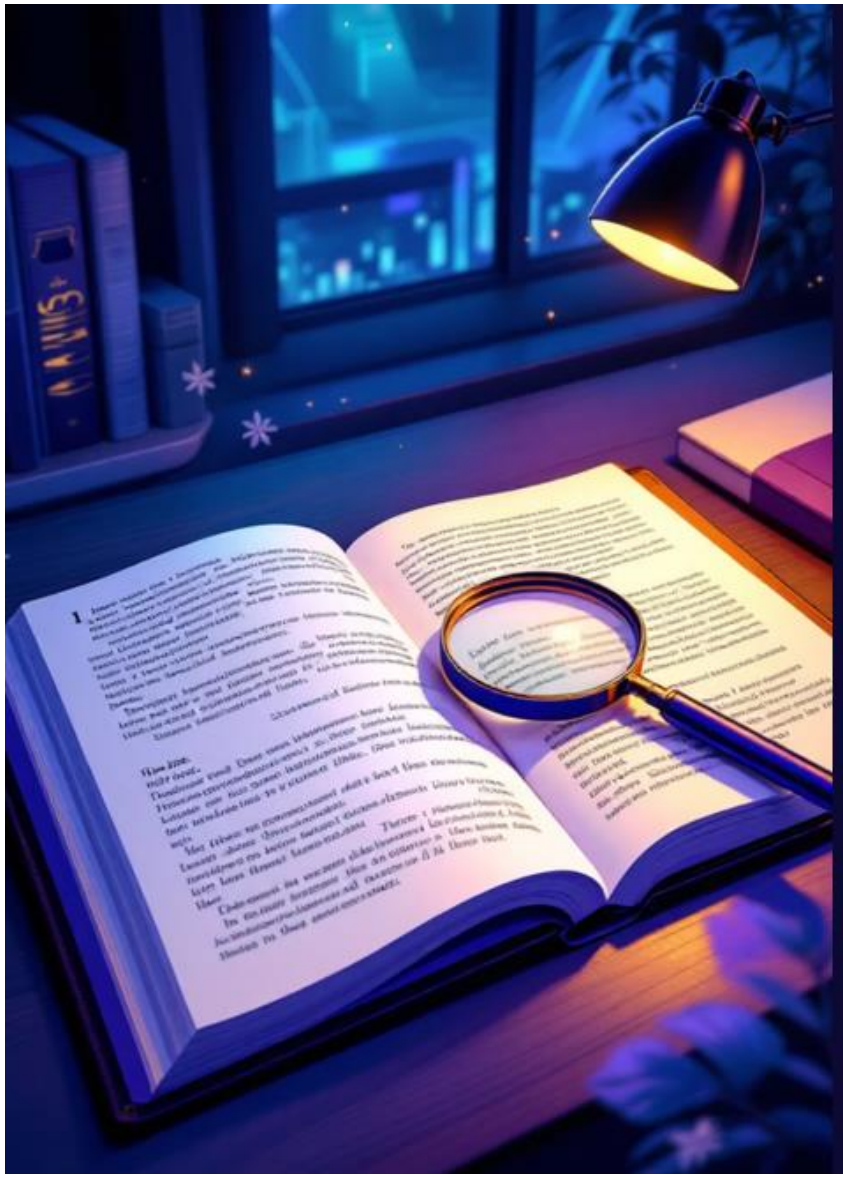
☆ Save 99 Cite Cited by 99 Related articles All 16 versions Web of Science: 59 »

[HTML] mdpi.com
Quick read
Full View

Showing the best result for this search. See all results

while Erzincan and Sivas provinces reflected the prevalence of bushy and early maturing accessions. Information provided herein comprehensively explored the occurrence of genotypic variations which can be used for the development of candidate varieties responding to breeder, farmer, and consumer preferences.

Keywords: *Phaseolus vulgaris*; germplasm characterization; genotype-by-environment interaction; heritability; Turkey



Q1 ve Q2 Dergilerde Etkili Giriş Bölümü Yazımı

Bilimsel bir makalenin en kritik bileşeni olan giriş bölümü, editörler ve ve hakemler üzerinde ilk bilimsel izlenimi yaratır. Güçlü sonuçlar bile, zayıf bir bile, zayıf bir giriş nedeniyle ön değerlendirmede reddedilebilir.

Giriş Bölümünün Yapısal Bileşenleri

Güçlü bir giriş, mantıksal ve yapılandırılmış bir akış izler. Her adım bir sonrakini doğal biçimde hazırlar.

01

Geniş Çerçeve

Araştırma alanına genel bakış; gıda güvenliği, iklim değişikliği veya sürdürülebilir tarım gibi toplumsal bağlamda önemin vurgulanması.

02

Eleştirel Literatür Özeti

Mevcut bilgi birikiminin sentezi; eğilimlerin ortaya konması ve son yıllardaki yüksek etkili gelişmelere hâkimiyet.

03

Araştırma Boşluğu

Mevcut literatürde eksik, belirsiz veya yetersiz incelenmiş yönlerin net tanımı; çalışmanın gerekliliğinin gerekçelendirilmesi.

04

Amaç, Hipotez ve Katkı

Boşlukla uyumlu, net ve öz amaç ifadesi; çalışmanın bilime, metodolojiye veya uygulamaya özgü katkısının açıklanması.

Temel İlkeler ve Kaçınılması Gereken Hatalar

✅ Dikkat Edilmesi Gerekenler

- Fikirlerin paragraftan paragrafa **mantıksal akışla** ilerlemesi
- **Güncel ve yüksek kaliteli** kaynakların kullanımı
- Odaklı, öz ve gereksiz uzunluktan kaçınan yapı
- Tutarlı terminoloji ve akıcı geçişler

❌ Yaygın Hatalar

- Açık bir **araştırma boşluğunun tanımlanmaması**
- Metnin aşırı genel veya ders kitabı tarzında yazılması
- Kaynakların **eleştirel analiz olmadan** sıralanması
- Eski kaynak kullanımı ve belirsiz amaç ifadeleri
- Sonuç ve tartışma unsurlarının erken aşamada verilmesi



Materyal ve Yöntemler Bölümü

Q1 ve Q2 dergilerde yayımlanmanın anahtarı: **bilimsel titizlik, şeffaflık ve tekrarlanabilirlik.**

Açıklık ve Deneysel Tasarım

Açıklık ve Bütünlük

Deneysel tasarımdan veri analizine tüm adımlar, çalışmanın tekrarlanmasına olanak sağlayacak şekilde ayrıntılı sunulmalıdır. Eksik bilgi, hakemler açısından doğrudan bir zayıflık olarak değerlendirilir.

Tasarım Kalitesi

Uygun kontroller, yeterli tekerrür, rastgeleleştirme ve iyi tanımlanmış değişkenler sonuçların güvenilirliğini artırır. Zayıf bir tasarım, sonradan gelişmiş analizlerle telafi edilemez.



İstatistiksel Analiz ve Veri Görselleştirme



İstatistiksel Analiz

Uygun modellerin seçilmesi, varsayımların (normallik, varyans homojenliği vb.) test edilmesi ve sonuçların doğru yorumlanması gereklidir. İstatistiksel analiz, Q1/Q2 makalelerde merkezi bir rol oynar.

Veri Görselleştirme

PCA grafikleri, ısı haritaları ve kutu grafikleri gibi etkili görseller, analiz kadar önemlidir. Karmaşık verilerin anlaşılmasını kolaylaştırır ve makalenin etki gücünü artırır.



Genetic diversity analysis of some species in Brassicaceae family with ISSR markers

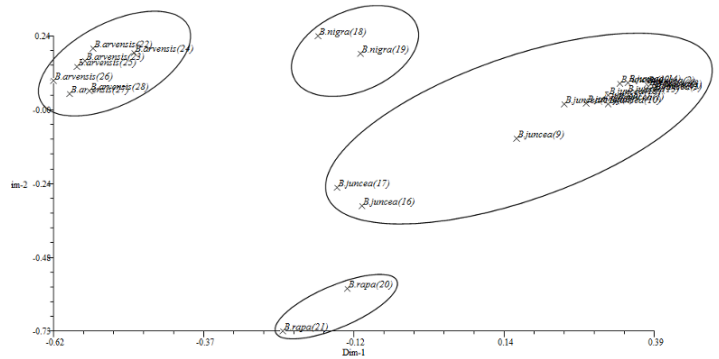


Figure 2. Two-dimensional PCA of 4 Brassica taxa with 28 accessions.

Table 2. List of the information of ISSR primers used for the 28 accessions of Brassica taxa. R=A, G; Y=C, T.

Primers	Sequence 5'→3'	Tm (°C)	GC (%)	Size (bp) min–max	# of poly. bands	# of mono. bands	# of unique bands	Polymorphism rate (%)	*PIC*	*Rp*
UBC814	$(CT)_8A$	46	47	220-2.500	17	-	1	94.4	0.34	6.86
UBC826	$(AC)_8C$	55	52.9	120-1.200	21	1	-	95.5	0.36	7.86
UBC827	$(AC)_8G$	55	52.9	150-1.300	26	-	-	100	0.40	14.57
UBC830	$(TG)_8G$	55	52.9	120-1.350	23	2	2	85.2	0.32	7.36
UBC834	$(AG)_8YT$	49-52	44.4-50	190-1.000	15	1	1	88.2	0.32	5.36
UBC835	$(AG)_8YC$	50-54	50-56	140-1200	25	-	2	92.6	0.34	10.71
UBC845	$(CT)_8RG$	48-52	50-56	230-2000	15	1	7	65.2	0.25	5.36
Total					142	5	13			
Average					20.29			88.75	0.33	8.29

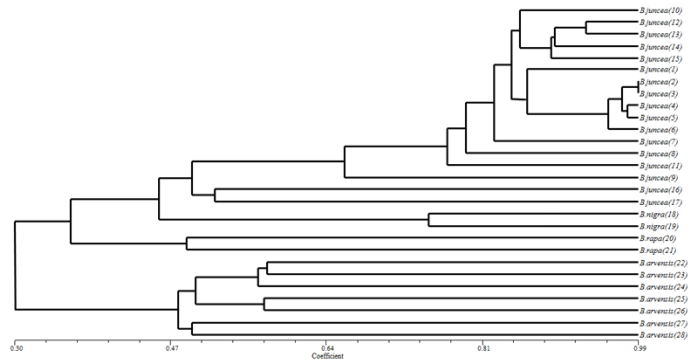
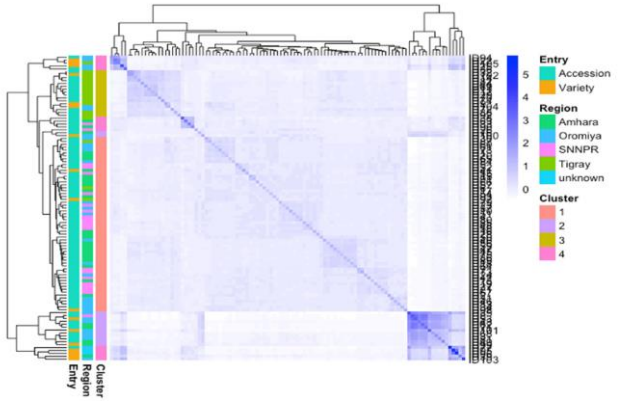


Figure 1. UPGMA-based cluster analysis of Brassicaea family with 28 populations.

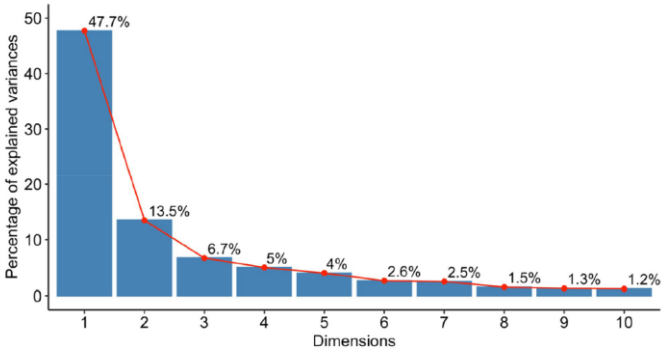


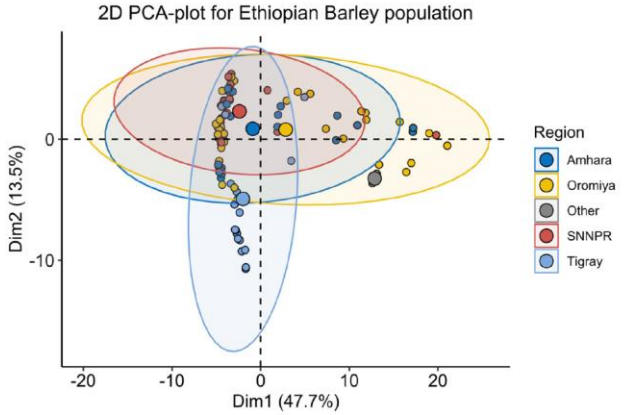
Yirgu *et al. BMC Genomic Data* (2023) 24:7
https://doi.org/10.1186/s12863-023-01109-6

BMC Genomic Data

RESEARCH Open Access

Single nucleotide polymorphism (SNP) markers for genetic diversity and population structure study in Ethiopian barley (*Hordeum vulgare* L.) germplasm





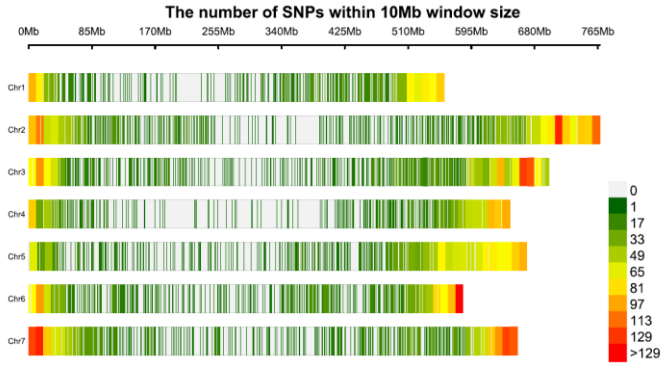


Fig. 1 Distribution of SNP markers within 10 Mb window size across seven chromosomes. Colored bars are SNP counts in 10 Mb interval

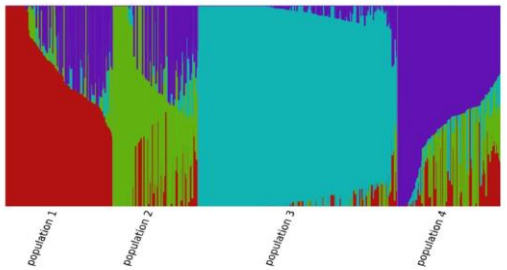
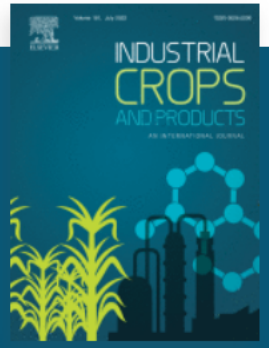


Fig. 5 Population structure of 105 barley genotypes (K = 4). Each vertical bar represents genotypes that are divided into K-colored segments

ScienceDirect

Journals & Books Help Search My account Sign in



Industrial Crops and Products

Open access

9.4 CiteScore

6.2 Impact Factor



Industrial Crops and Products

Volume 181, July 2022, 114801



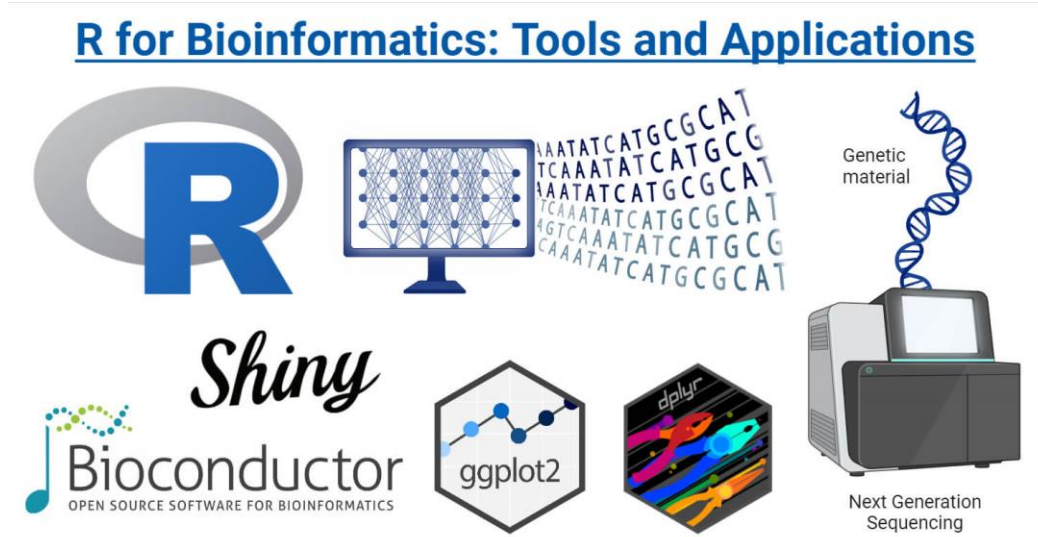
Machine learning (ML) algorithms and artificial neural network for optimizing in vitro germination and growth indices of industrial hemp (*Cannabis sativa* L.)

Muhammad Aasim [a], Ramazan Katırcı [b], Ozlem Akgur [a], Busra Yildirim [c], Zemran Mustafa [d], Muhammad Azhar Nadeem [a], Faheem Shahzad Baloch [a], Tolga Karakoy [a], Güngör Yılmaz [e]

☆ Save 99 Cite Cited by 89 Related articles All 4 versions

Minitab®

jmp®

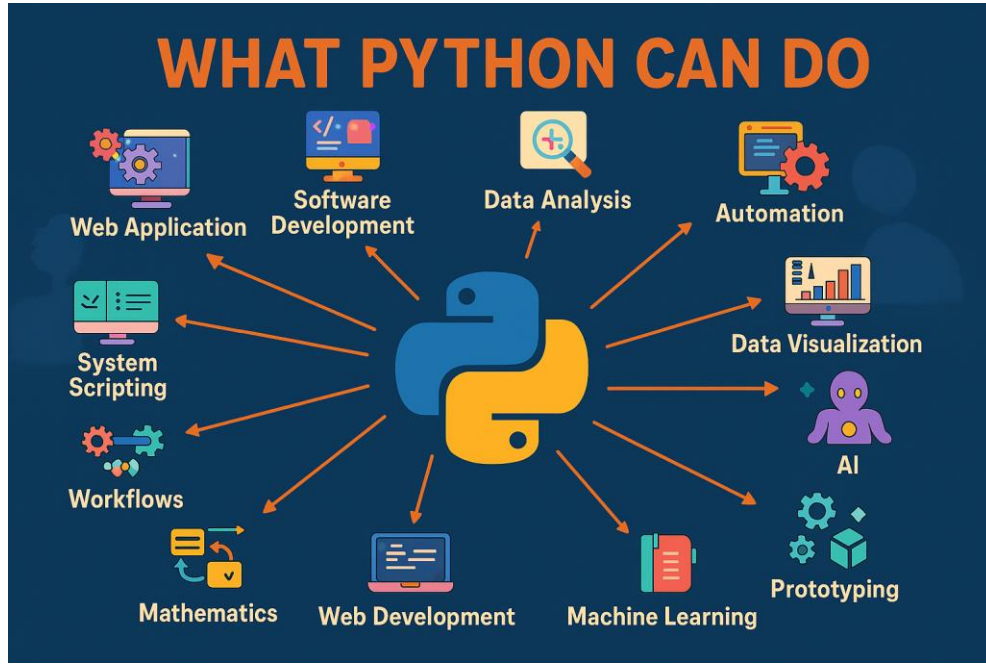


MATLAB

IBM SPSS®

XLSTAT

Genstat®



Yaygın Hatalar

Yetersiz Metodolojik Detay

Yöntemlerin araştırma amacıyla ilişkilendirilmemesi ve kullanılan yazılım, veri filtreleme ile kalite kontrol süreçlerinin belirtilmemesi önemli eksikliklerdir.

Hatalı veya Zayıf İstatistiksel Analiz

Yüksek etki faktörlü dergiler, modern tekniklerin kullanımını veya tercih edilen yöntemlerin güçlü bir şekilde gerekçelendirilmesini bekler.

Yalnızca Tablolara Dayalı Veri Sunumu

Yöntemlerin güncel ve uygun olması da önemlidir. Güncel Q1 yayınlarının incelenmesi, metodolojinin mevcut standartlara uyumunu güçlendirir.



Güçlü Bir Sonuçlar Bölümü Nasıl Yazılır?

Yüksek etki faktörlü dergilerde kabul görmek için bulguların doğru yapılandırılması, görselleştirilmesi ve nesnel biçimde sunulması kritik önem taşır.

Sınırları Korumak: Objektiflik İlkesi ve Makale Ekosistemi

Materyal ve Metot	Bulgular (Results)	Tartışma (Discussion)
Nasıl yapıldı?	Ne bulundu?	Neden? ve Ne anlama geliyor?
Deneyin ve analizin operasyonel detayları.	Sadece saf sonuçlar ve gözlemler. Yönlendirme var, yorum yok.	Beklentilerle karşılaştırma, literatür entegrasyonu ve spekülasyon.

Altın Kural: Bulgular bölümünde ‘neden’ veya ‘ne anlama geliyor’ sorularına asla yanıt aranmaz.

GÜÇLÜ RESULTS BÖLÜMÜ: AN ARCHITECTURAL EQUATION

Elde Edilen Veriler
Ham gözlemlerin sistematik seçimi

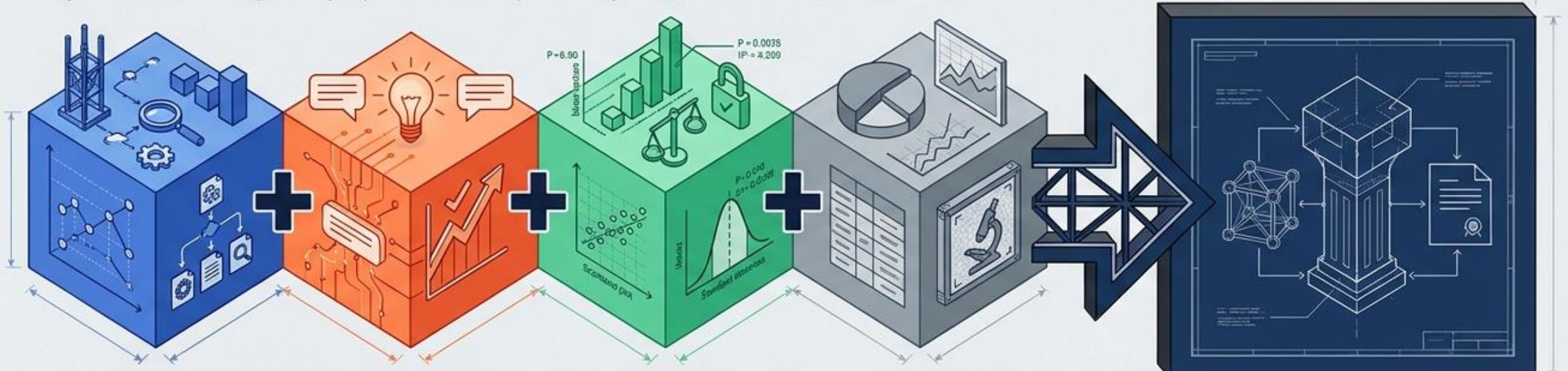
Temel Bulgular
Okuyucuya sunulan asıl mesaj

İstatistiksel Kanıtlar
Doğruluk ve şeffaflık

Görsel Destek
Şekil ve tablolarla kanıtlama

16:9

GÜÇLÜ RESULTS BÖLÜMÜ



Elde Edilen Veriler
Ham gözlemlerin sistematik seçimi

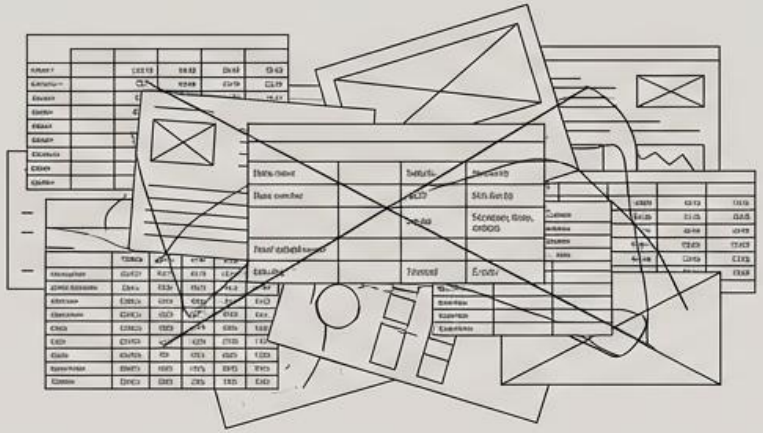
Temel Bulgular
Okuyucuya sunulan asıl mesaj

İstatistiksel Kanıtlar
Doğruluk ve şeffaflık

Görsel Destek
Şekil ve tablolarla kanıtlama

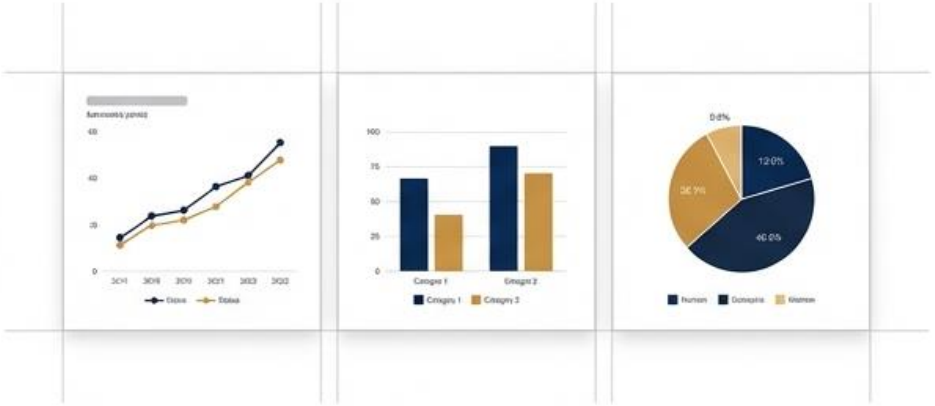
Temel Amaç: Yorum yapmadan, sadece araştırmada ne bulunduğunu objektif ve kanıta dayalı göstermek.

Reddedilen Yaklaşım



- Ham veri yığınları
- Amaca hizmet etmeyen karmaşık tablolar
- Okuyucuyu yoran düzensiz akış

Q1 / Q2 Standardı



- Stratejik olarak filtrelenmiş bilgi
- Hikâyeyi anlatan yüksek kaliteli görselleştirme
- Sadece ana bulguya odaklanan net mimari

Q1/Q2 dergilerde yayınlanmak, verinizin ne kadar büyük olduğuyla değil, onu nasıl inşa ettiğinizle ilgilidir.

Veri Sunumu Karar Matrisi: Hangi Format, Ne Zaman Kullanılmalı?

Metin (Text)

Yönlendirme ve Vurgu

Sadece ana mesajı, kritik eğilimleri ve istatistiksel kararları (anlamlı/anlamsız) belirtmek için. Tüm ham veriyi buraya yığmaktan kaçının.

Tablo (Table)

Kesinlik ve Detay

Kesin sayısal değerlerin (örn. demografik veriler) gerektiği, küçük/orta ölçekli veri setleri için. Uyarı: Aşırı kullanımından kaçının.

Figür (Figure)

Örüntü ve Eğilim

Büyük veri setleri, karmaşık ilişkiler ve zaman/doz eğilimlerini göstermek için. Q1 dergilerin ana görsel silahıdır.

METİN: Sadece Önemli Eğilimler

- Tüm veriyi tekrar etmeyin.
- Sadece ana mesajı ve kritik farklılıkları vurgulayın.

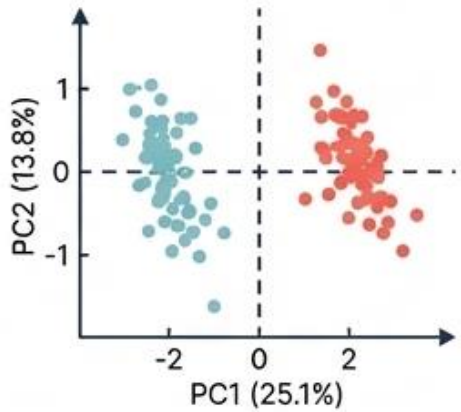


FİGÜRLER: Büyük Veri Setleri

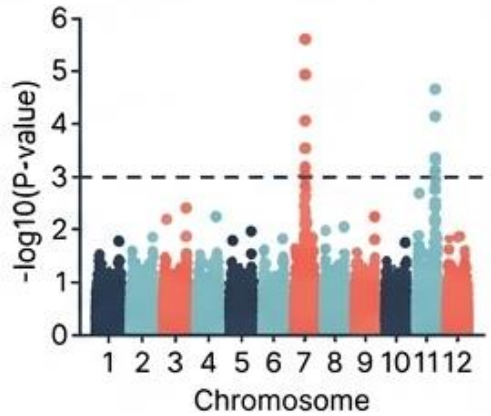
- Tablo yığınları yerine figürleri tercih edin.
- Figürler açık ve kendi kendini açıklayan formatta olmalıdır.

Görsel Kalite = Makale Kalitesi (Q1 Standartları)

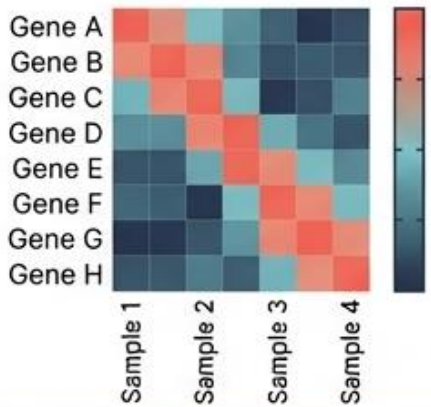
Büyük veri setlerini tablolara gömmeyin; kendi kendini açıklayan, yüksek çözünürlüklü figürlere dönüştürün.



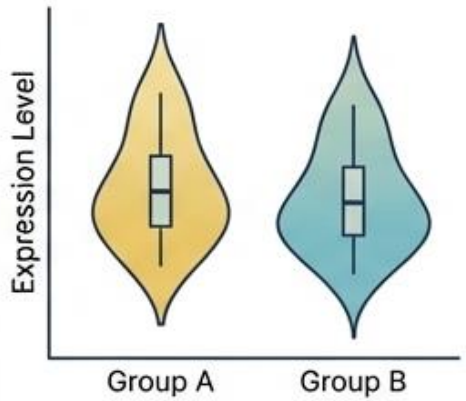
PCA (Principal Component Analysis) – Popülasyon yapısı ve veri kümeleşmesini göstermek için.



Manhattan Plot – GWAS ve geniş ölçekli genetik sonuçlar için.



Heatmap – Gen ekspresyonu ve korelasyon matrisleri için.



Violin & Box Plot – Dağılım, medyan ve veri varyasyonunu netleştirmek için.

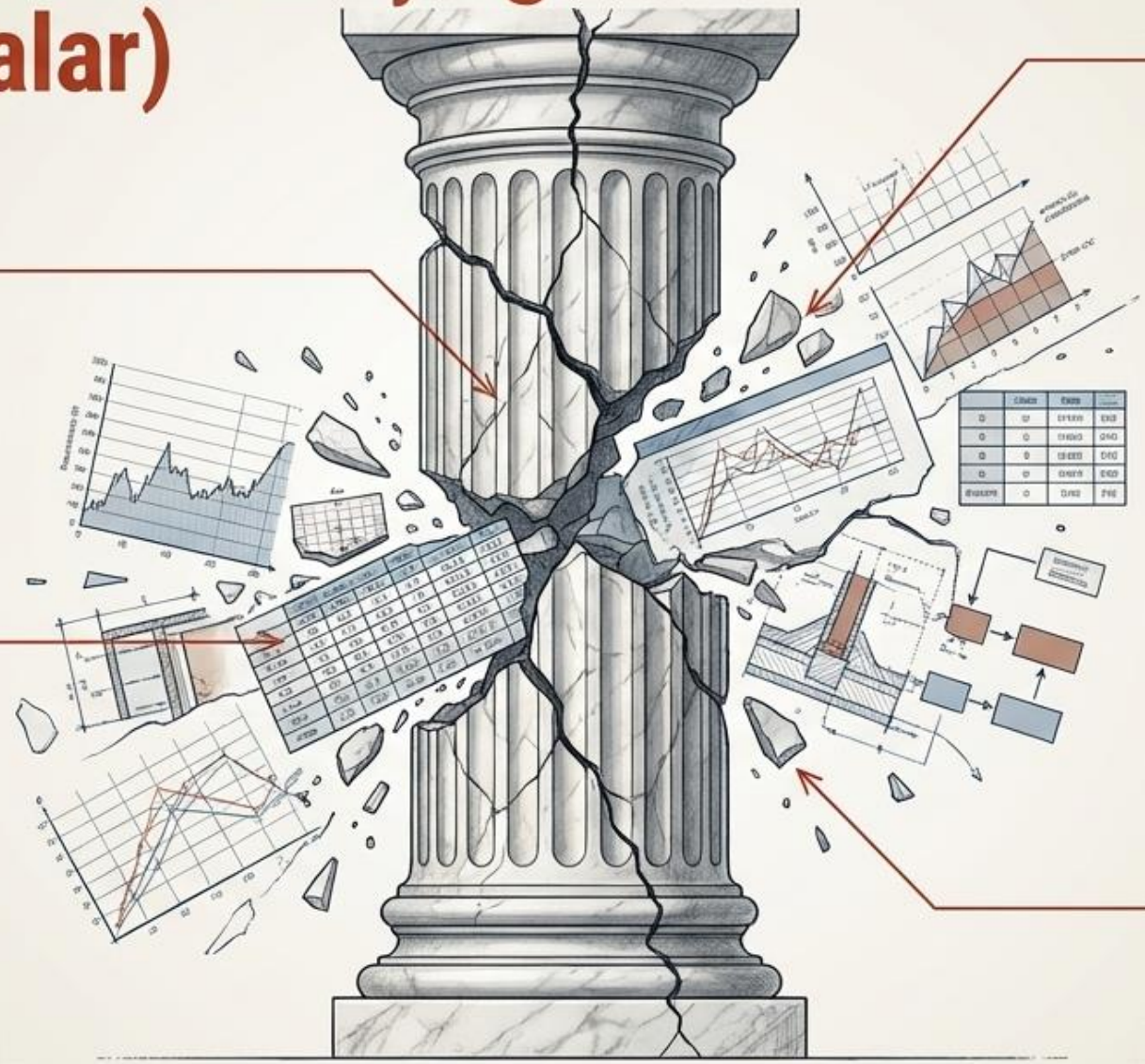
Desk Reject: Kırmızı Çizgiler (Yaygın Hatalar)

Yapısal Çöküş

Düzensiz yapı, zayıf akış ve sonuçlarla tartışmanın birbirine karıştırılması.

Görsel Kirlilik

Figür yerine tabloların aşırı kullanımı, düşük kaliteli figürler. Aynı veriyi metin ve tabloda tekrarlamak.



Veri Çöplüğü

Ham veri veya amaca hizmet etmeyen gereksiz veri yığını sunmak.

Zayıf Temel

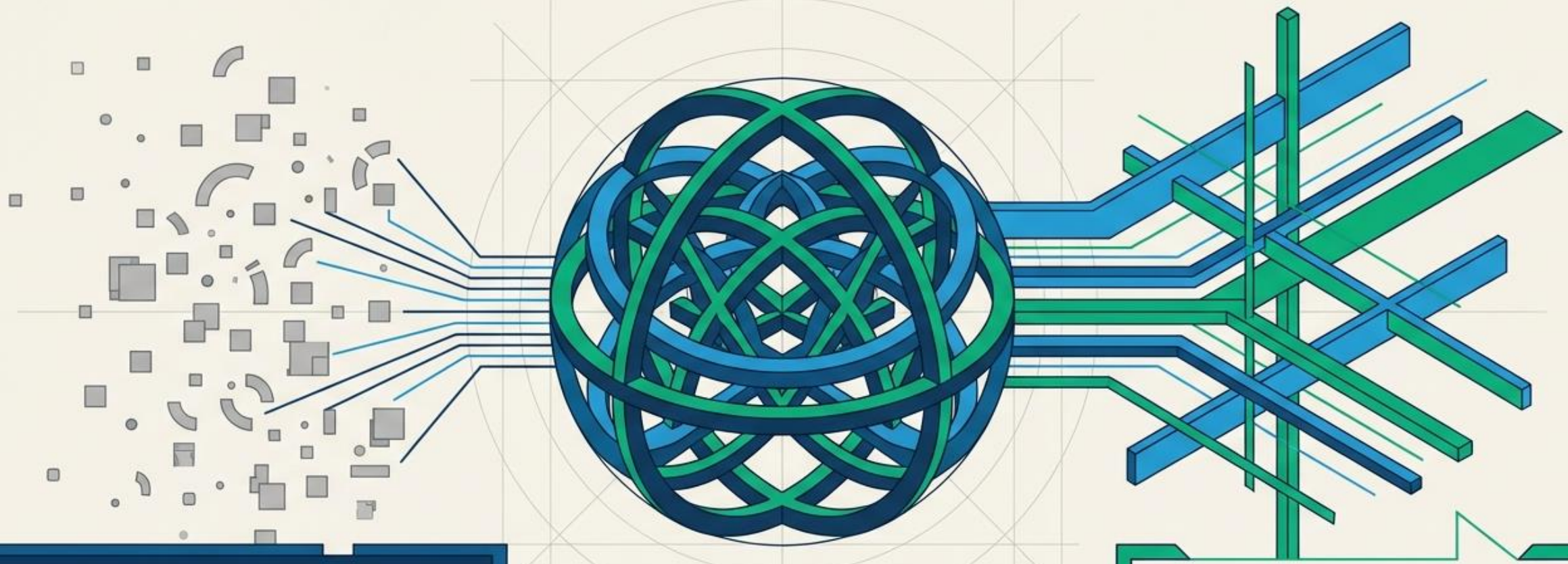
Hatalı/eksik istatistiksel analiz ve anlamsız (non-significant) sonuçları abartmak. Metin, şekil ve tablo arası tutarsızlık.

Q1/Q2 Dergiler İçin Etkili Makale Tartışma Bölümü İnşası

Veriyi Anlama Dönüştürme Sanatı ve Stratejisi



Tartışma bölümü makalenizin yorumlayıcı çekirdeğidir



Sadece sonuçları raporlamakla kalmaz; bulgularınızın anlamını açıklar, bağlamlandırır ve önemini gerekçelendirir.

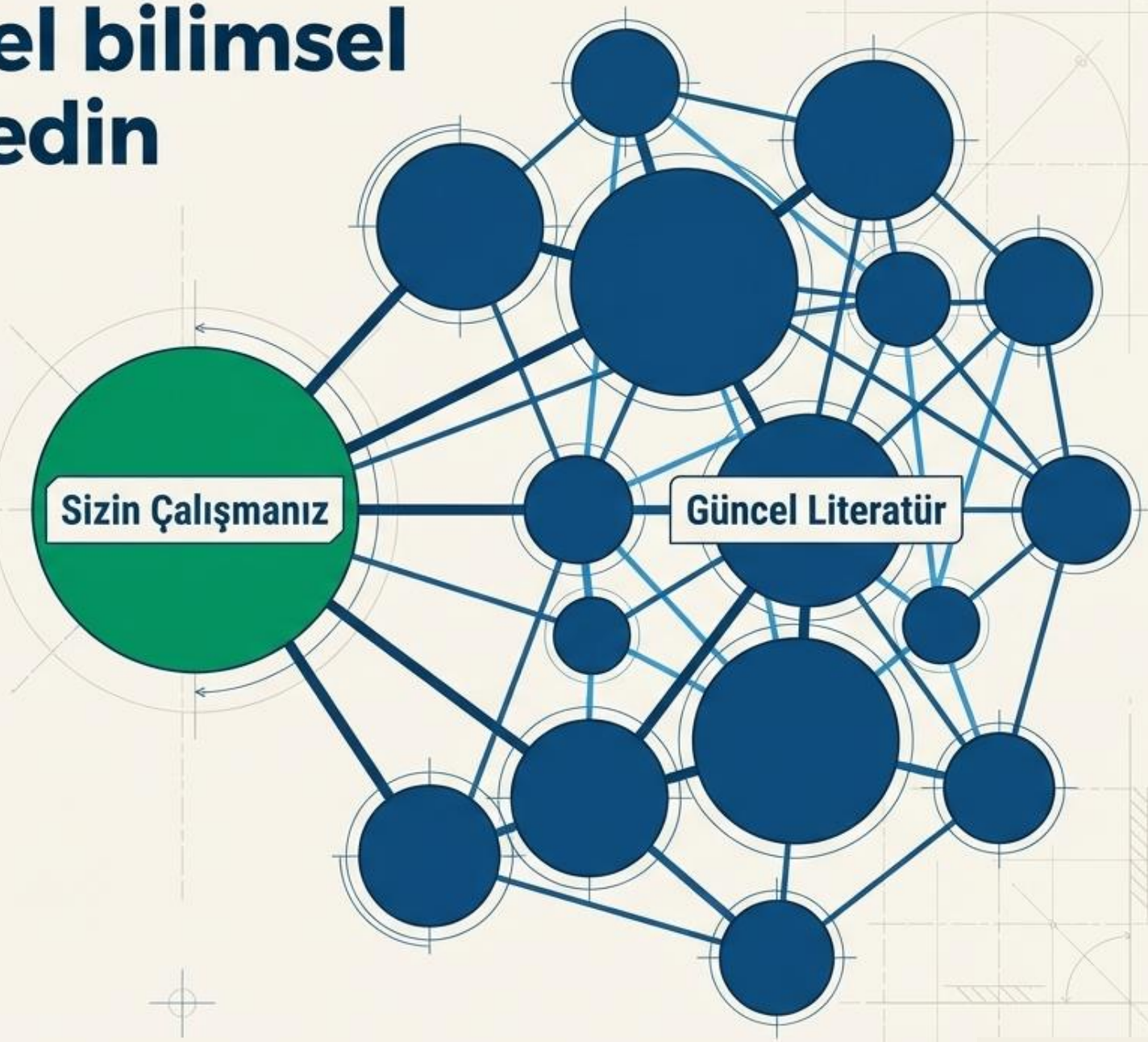
Temel Soru:
Bulgular ne anlama geliyor ve neden önemlidir?

Çalışmanızı küresel bilimsel diyaloğa entegre edin

Son ve en kaliteli çalışmalarla doğrudan karşılaştırma yapın.

Bulgularınızın önceki çalışmalarla neden uyumlu veya farklı olduğunu kanıtlarla açıklayın.

Alandaki güncel eğilimlere ve literatürdeki boşluklara tam olarak hakim olduğunuzu gösterin.



Zayıf bir tartışmayı mükemmellikten ayıran yapısal farklar

	Zayıf Tartışma	Güçlü / Q1-Q2 Standardı
Veri Kullanımı	Sadece sonuçları, tabloları ve sayıları tekrar eder.	Verinin anlattığı ana hikayeye ve yoruma odaklanır.
Literatür Bağlamı	Sadece eski referansları listeler.	Alandaki güncel trendleri, tartışmaları ve boşlukları gösterir.
Mimari Akış	Rastgele geçişler, aşırı uzun ve yorucu paragraflar.	Huni yaklaşımı ile yapılandırılmış, paragraf bazlı net mantık.

Q1 ve Q2 Dergilerinde Etki Yaratmak

Güçlü Bir "Conclusion" Bölümünün Anatomisi



Conclusion Bir Özet Değil, Araştırmanızın Nihai Varış Noktasıdır

Sayısal Veri Yığını



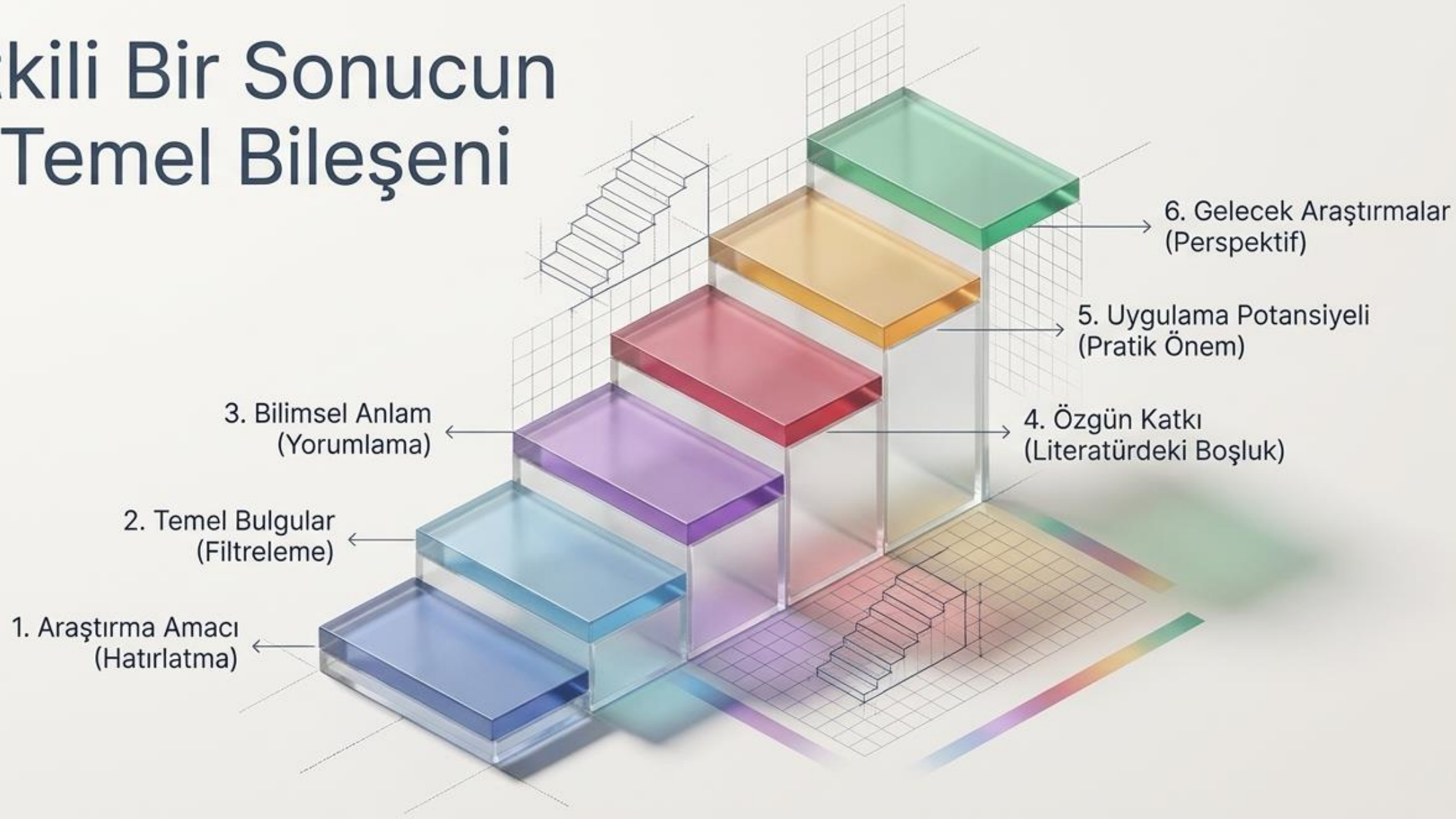


Bilimsel Keşif ve Anlam

Altın Kural 1: Sonuçları değil, bilimsel keşfi ön plana çıkarın.

Hakemler sayısal verilerinizi "Results" bölümünde zaten okudu. Bu bölüm, araştırmanızın daha geniş bilimsel dünyadaki yerini ve anlamını inşa ettiğiniz yerdir.

Etkili Bir Sonucun 6 Temel Bileşeni

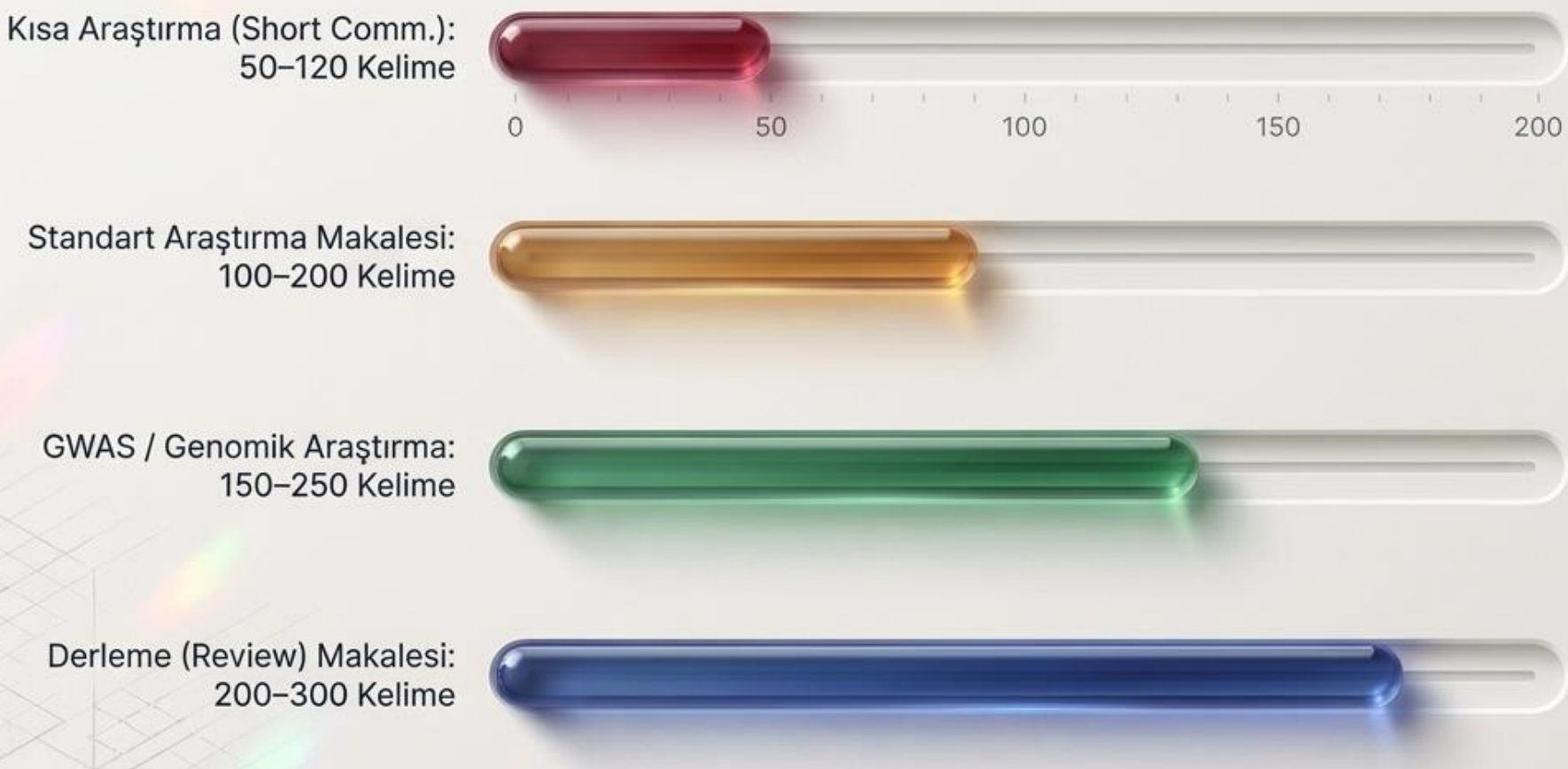


Bu altı bileşen, araştırmanın temel amacıyla tam bir uyum içinde ardışık olarak inşa edilmelidir.

Editör Masası: Q1/Q2 Beklentileri ve Desk-Reject Hataları

Q1/Q2 Editörlerinin Beklentisi	Sık Yapılan Kritik Hatalar
✓ Kısa, net ve bilimsel keşif odaklı bir sentez.	✗ Abstract bölümünü kelimesi kelimesine kopyalamak.
✓ Sadece en önemli 2-4 bulgunun bilimsel sentezi ve yorumu.	✗ Yöntemleri (Methods) ve tüm sayısal verileri tekrar etmek.
✓ Bulguların öneminin açıkça gerekçelendirilmesi.	✗ Gereksiz uzun ve tekrarlayan cümleler kullanmak.
✓ Odaklanmış, veriye dayalı gerçekçi gelecek vizyonu.	✗ Gerçekçi olmayan uygulama önerileri ve kanıtlanmamış yenilik iddiaları sunmak.

İdeal Sonuç Bölümü Uzunluğu



Önemli Hatırlatma: Bunlar genel yazım rehberleridir. Derginin spesifik yazım kuralları (Author Guidelines) daima önceliklidir. Kısa, anlaşılır ve akademik bir dil hedeflenmelidir.



Son Söz Sizin İmzanızdır

Hakemlerin ve bilim insanlarının makalenizden ayrılırken akıllarında kalacak son şey, Conclusion bölümünün son cümlesidir. Bu cümleyi **genel bir özet** yapmak yerine, çalışmanızın bilim dünyasında açtığı **yeni** ufku vurgulamak için kullanın.

“Overall, this study contributes to...”

Editör ve Hakem Değerlendirme Süreci

Q1 & Q2 Dergileri



1. Basvuru ve Ön Değerlendirme

- Gönderim ve format kontrolu.
- Editör ön incelennesi.
- *"Desk Rejection"* Riski.



2. Hakem Ataması

- Uygun uzman hakemlerin secimi.
- Davet ve onay süreci.



3. Hakem Değerlendirmesi

- Detayli bilimsel inceleme.
- Yorum ve öneriler.
- Gizli ve çift kör hakemlik.



4. Karar Aşaması

- Revizyon, Kabul veya Red.
- Gelen geri bildirimlerin degerlendirilimesi.



5. Revizyon ve Düzeltmeler

- Yazarm değişjelik yapmasi.
- Hakem önerilenne yänit.



6. Nihai Karar

- Son değerlendirme
- Kabul ve yayina hazirlik.



Süreç: 2-6 Ay



Objektif ve Gizli Değerlendirme



Yüksek Bilimsel Standartlar

REVİZYON SÜRECİ

Yüksek Etki Faktörlü Dergilerde Etkili Yönetim



1. Editör/Yorumcu Geri Bildirimi

- Revizyon taleplerini dikkatlice okuyun
- Ana noktaları belirleyin

2. Planlama ve Stratëji

- Yanıt stratejisi belirleyin
- Zaman çizelgesi oluşturun

3. Revizyon ve Yeniden Yazım

- Düzeltmeleri yapın
- Eksikleri tamamlayın

4. Cevap Mektubu Hazırlığı

- Açık ve net yanıtlar yazın
- Değişiklikleri açıklayın

5. Son Kontrol ve Gönderim



- Son kontrolleri yapın
- Makalenizi gönderin

Özenli ve sistemli bir revizyon süreci yayın başarısını artırır!

Response to reviewers and editors

Dear Editor-in-Chief,

Thank you very much for providing the opportunity to thoroughly revise the manuscript entitled "**Evaluation of genetic diversity and population structure of Lentil (Lens culinaris) germplasm through iPBS-Retrotransposon marker system**" having manuscript ID: **BMC678-25**. We appreciate the time and effort you and the reviewers put into providing input on our article, and we are thankful for the thoughtful remarks and significant changes to our work that you and the reviewers made. All the suggestions made by the reviewers have been taken into account one by one within the manuscript. A point-by-point response to each reviewer's query has been provided below in the Response to Reviewers section. I believe that now our manuscript will meet the publication criteria.

Yours sincerely,

Muhammad Azhar NADEEM

Response to Reviewers

Reviewer 1

Query: In the introduction only, please add one or two statements mentioning how this work extends beyond Baloch et al. (2015) study in terms of marker selection, geographical coverage etc.

Response: Thank you for the suggestion. We clarified in the introduction that our study uses more iPBS markers and a larger, more diverse set of 96 *Lens culinaris* accessions compared to Baloch et al. (2015). The changes are reflected in the introduction (67-69).

Q1 ve Q2 Dergilerinde Yapay Zekâ Destekli Yayın Süreci

Literatür Sentezinden Makale Kabulüne: Akademik Üretkenliği ve Kaliteyi Artırma Rehberi



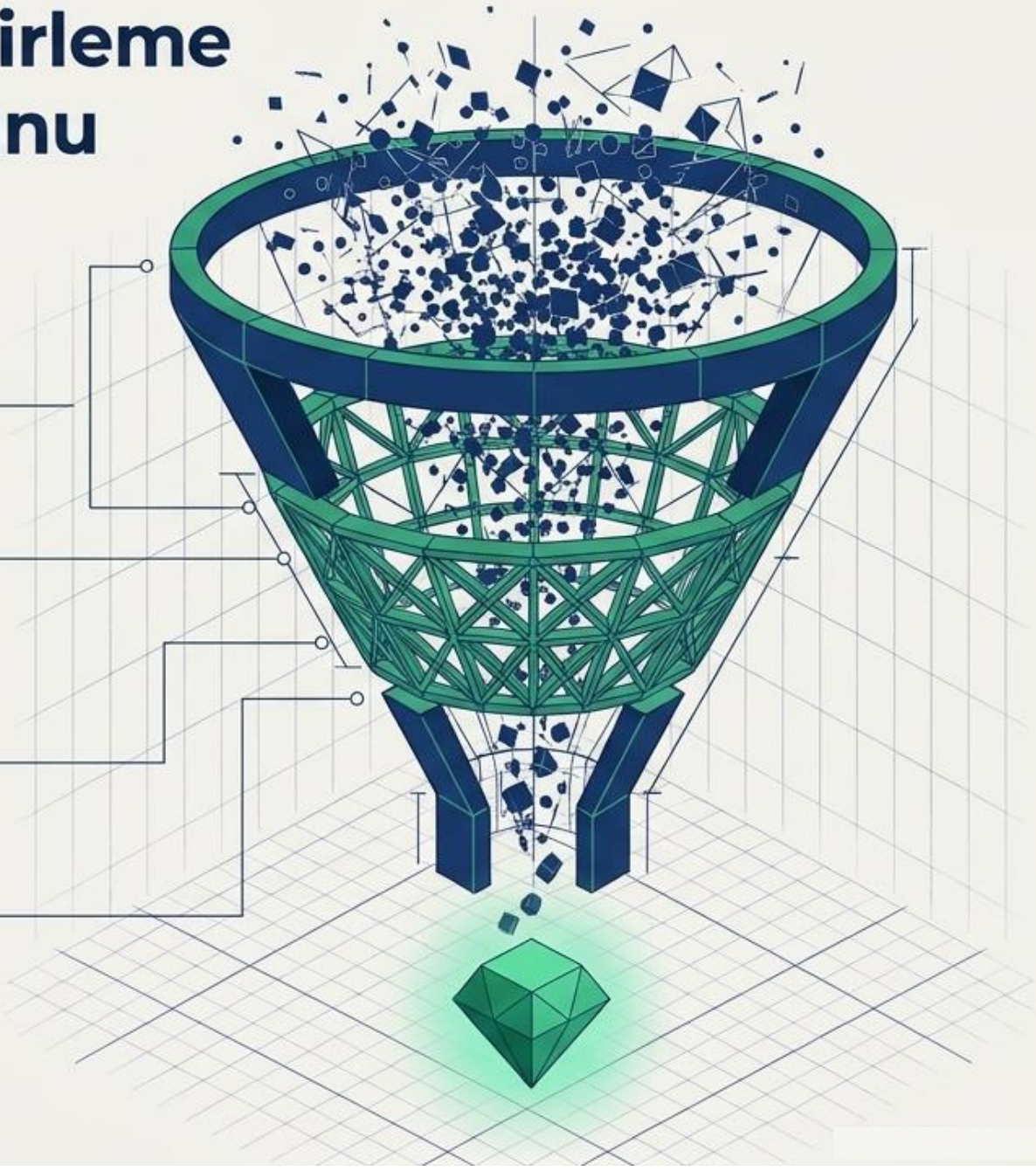
Yapay zekâ araştırmacının yerini almaz, vizyonunu ve hızını güçlendirir.



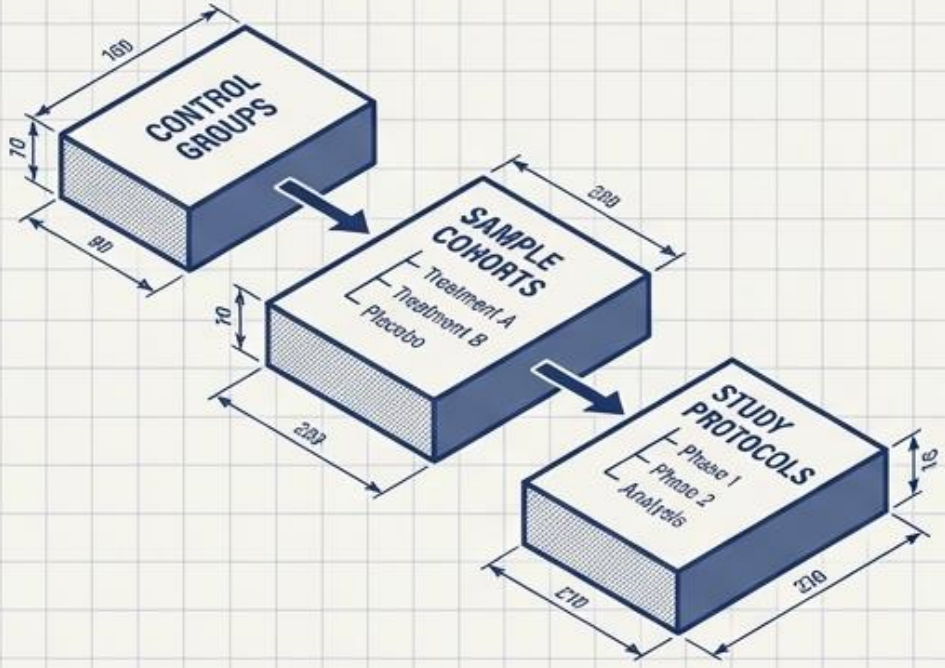
Q1/Q2 Yayın Başarısı: Bilimsel üretkenliğin, analiz yeteneğinin ve yazım kalitesinin maksimize edilmesi.

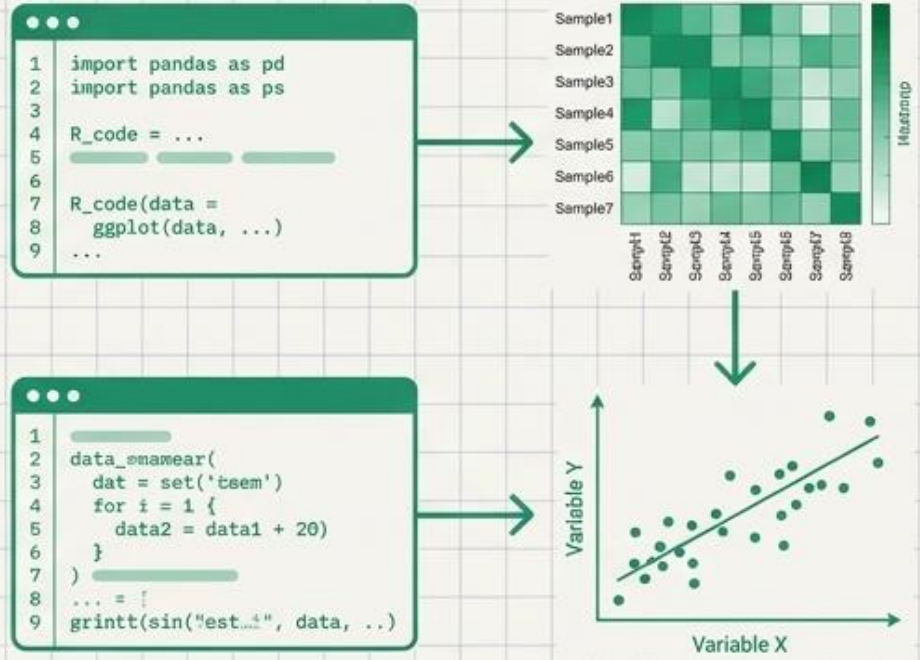
Yeni araştırma konularını belirleme ve literatürdeki bilgi boşluğunu (Research Gap) keşfetme.

- Mevcut literatürdeki eksiklikleri ve çelişkileri hızla haritalandırma.
- Q1/Q2 dergilerinin kapsamına uygun, yüksek etki potansiyeline sahip araştırma fikirleri oluşturma.
- Sıradan soruları, özgün (novel) araştırma hipotezlerine dönüştürme.
- Planlanan araştırmanın bilimsel önemini (scientific significance) önceden simüle ederek değerlendirme.



Deneysel tasarımın güçlendirilmesi ve veri analizinde istatistiksel güvenilirlik





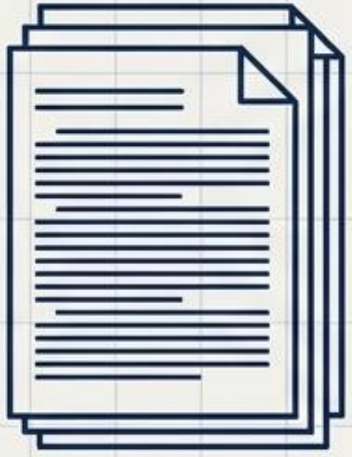
Deneysel Tasarım (İnsan Odaklı)

- Metodolojik açıklamaların netleştirilmesi; deney planı ve kontrol gruplarının Q1 standartlarında değerlendirilmesi; tekrarlanabilirliğin (Reproducibility) artırılması.

Veri Analizi (AI Destekli)

- R ve Python biyoinformatik iş akışları için kod üretimi ve hata ayıklama; GWAS, PCA, Clustering, Heatmap ve Manhattan plot analizlerinin istatistiksel yorumlanması.

Karmaşık bilimsel bulguları yayın kalitesinde görsel özetlere (Graphical Abstract) dönüştürme.



Metinden Konsepte: Temel bulguları ve güçlü bilimsel sonuçları vurgulayan etkili özet metninin (Abstract & Conclusion) çıkarılması.



Yapay Zekâ Taslaklaması: Metinsel verilerin görsel hiyerarşiye oturtulması ve kavramsal diyagram fikirlerinin üretilmesi.



Görsel İllüstrasyon: Derginin görsel standartlarına uygun, yüksek çözünürlüklü ve çarpıcı bilimsel illüstrasyonların tasarlanması.

Akademik Dil ve Masa Reddi Bariyeri



Kusursuz bir fikir, zayıf bir İngilizce yüzünden reddedilmez. Dilbilgisi onarımı ve akademik tona uygunluk optimizasyonu ile ön değerlendirme reddi riskini dramatik ölçüde azaltır.

Bilimsel güvenilirliği korumak için yapay zekâ kullanımındaki kesin kırmızı çizgiler.

Kabul Edilebilir AI Desteği

- Kod hata ayıklama, dil optimizasyonu, literatür haritalama, görselleştirme tavsiyeleri.

Akademik İhlal ve Riskler

Sahte Referans (Halüsinasyon):
AI kaynaklarını doğrulamadan kullanmak sahte atıflara neden olur.

Veri Uydurma:
Hipotezi desteklemek için yapay istatistiksel sonuç veya deneysel veri üretmek.

Görsel Manipülasyon:
Mikroskopi ve jel görüntülerini (blots) AI ile değiştirmek.

Körlemesine Kopyalama:
AI tarafından yazılan tartışma metnini bilimsel kontrol yapmadan makaleye eklemek.

Gizlilik İhlali:
Yayımlanmamış ham verileri açık AI sistemlerine yüklemek.

PLOS One

Publish About Browse

OPEN ACCESS PEER-REVIEWED

RESEARCH ARTICLE

Adoption of AI writing tools among academic researchers: A Theory of Reasoned Action approach

Mohammed A. Al-Bukhrani, Yasser Mohammed Hamid Alrefaee, Mohammed Tawfik

Published: January 9, 2025 • https://doi.org/10.1371/journal.pone.0313837

System 133 (2025) 103779

Contents lists available at ScienceDirect

System

journal homepage: www.elsevier.com/locate/system



Generative AI tools and empowerment in L2 academic writing

Benjamin Luke Moorhouse [a,*], Yuwei Wan [b], Chenze Wu [b], Meixin Wu [b], Tsz Ying Ho [b]

[a] Department of English, City University of Hong Kong, Hong Kong, China
[b] Department of Education and Psychology, Hong Kong Baptist University, Hong Kong, China

Cheng et al. Advances in Simulation (2025) 10:22
https://doi.org/10.1186/s41077-025-00350-6

Advances in Simulation

COMMENT Open Access

Artificial intelligence-assisted academic writing: recommendations for ethical use

Adam Cheng[1*], Aaron Calhoun[2] and Gabriel Reedy[3]

Bilimsel Yayıncılıkta Kullanılabilecek Önemli AI Araçları

Daha Verimli Araştırma • Daha Güçlü Makaleler • Daha Etkili Bilim







1. ChatGPT

- Bilimsel yazım, makale değerlendirme,
- hipotez geliştirme, R/Python kodlama,
- veri yorumlama, grafik ve hakem yanıtları.

2. Elicit

Elicit

- Literatür taraması, makale özetleme,
- yöntem ve bulguları karşılaştırma,
- sistematik derleme.

3. Consensus

Consensus

- Bilimsel literatüre dayalı
- sorulara yanıt bulma ve
- araştırma sonuçlarını karşılaştırma.

4. Scite

scite_

- Makalelerin nasıl atıf aldığını,
- hangi çalışmalar tarafından desteklendiğini veya hangi çalışmalarla çeliştiğini inceleme.

5. ResearchRabbit

ResearchRabbit

- İlgili makaleleri, önemli araştırmacıları ve bilimsel yayınlar arasındaki bağlantıları keşfetme.

6. Grammarly

grammarly

- Akademik İngilizce, dilbilgisi,
- noktalama, cümle yapısı ve
- okunabilirlik geliştirme.

7. Zotero

zotero

- Kaynak yönetimi, PDF düzenleme,
- otomatik atıf ekleme ve kaynakça oluşturma.

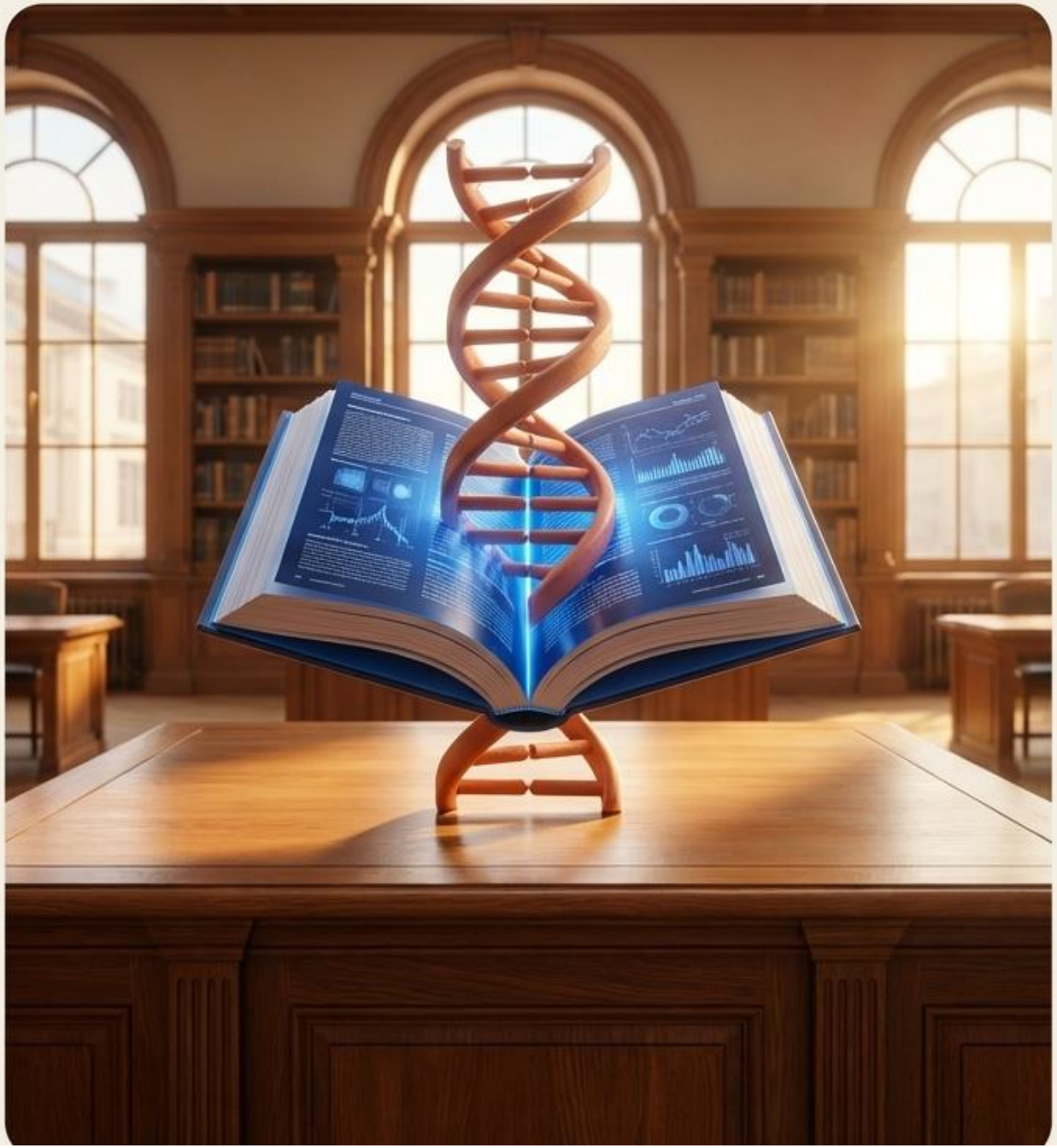
8. Claude

Claude

- Akademik yazım, fikir geliştirme,
- karmaşık konuları basitleştirme,
- veri analizi ve araştırma planlaması.

Akıllı Araçlarla Bilimsel Başarıya Ulaşın!

- Zaman Kazanın
- Kaliteyi Artırın
- Daha Etkili Yayınlar Yapın



Teknoloji bilimin hızını kökünden değiştirir, ancak ruhunu her zaman araştırmacı belirler.

Etik, bilinçli ve stratejik yapay zeka kullanımıyla; laboratuvarınızdaki fikirleri dünyanın en saygın dergilerine taşıyın.

Q1 ve Q2 Dergilerinde Yayın Yapmak İçin Genel Stratejiler

Yüksek etki faktörlü akademik dergilerde yayın yapmak, stratejik planlama ve sistematik bir yaklaşım gerektirir. Bu sunum, araştırmanızı en etkili şekilde konumlandırmanız için kanıtlanmış stratejileri özetlemektedir.



STRATEJI 1

Hedef Dergileri Erken Belirleyin



Doğru dergiyi seçmek, kabul sürecinin en kritik adımıdır. Başvuru tarihlerinden önce şu kriterleri değerlendirin:

Etki Faktörü

Derginin alandaki akademik ağırlığını ölçün.

Hedef Kitle Uyumu

Araştırmanızın dergi okuyucu profiliyle örtüşmesini sağlayın.

Tematik Uyum

Çalışmanızın dergi kapsamıyla doğrudan bağlantılı olduğundan emin olun.

STRATEJI 2

Dergi Kurallarını İyi Anlayın

Her derginin kendine özgü gönderim kuralları vardır. Bu kurallara uymak, makalenizin ön değerlendirmeden geçmesini sağlar ve kabul şansını doğrudan artırır.

Format Gereksinimleri

Başlık yapısı, bölüm sıralaması ve sayfa düzeni.

Atıf Stili

APA, Harvard, Chicago veya dergiye özgü atıf formatı.

Kelime Uzunluğu

Özet, giriş ve tam metin için belirlenen sınırlar.

Gönderim Kontrol Listesi

Tüm ek belgeler ve beyanların eksiksiz hazırlanması.

STRATEJI 3 &4

Güçlü Özet, Giriş ve Özgün Katkı

Etkileyici Özet ve Giriş

Özet; araştırma sorusu, yöntem, temel bulgular ve çıkarımları kısa ve net biçimde sunmalıdır. Giriş bölümü ise okuyucuyu yakalayacak ve çalışmanın neden önemli olduğunu vurgulayacak şekilde kurgulanmalıdır.

Yenilik ve Katkıya Odaklanın

Çalışmanızın özgünlüğünü açıkça ortaya koyun: Araştırmanız hangi yeni bilgileri sağlıyor? Mevcut literatüre katkınızı net ve somut biçimde ifade edin. Editörler ve hakemler, çalışmanın alana ne kattığını ilk sayfada görmek ister.



STRATEJI 5

Metodoloji ve Analizi Güçlendirin

Sağlam bir çalışma tasarımı ve uygun istatistiksel yöntemler, makalenizin bilimsel güvenilirliğini doğrudan etkiler. Q1 ve Q2 dergileri, metodolojik titizliğe özel önem verir.

Çalışma Tasarımı

Araştırma sorusuna uygun, tekrarlanabilir ve şeffaf bir yöntem seçin.

İstatistiksel Analiz

Verileri uygun testlerle analiz edin; varsayımları ve sınırlılıkları açıkça belirtin.

Detaylı Açıklama

Diğer araştırmacıların çalışmanızı çoğaltabilmesi için yeterli teknik ayrıntı sunun.

STRATEJI 6 &10

İş Birliği ve Akademik Ağ



Meslektaş Geri Bildirimi

Makalenizi göndermeden önce mentorlerinizden ve meslektaşlarınızdan eleştirel geri bildirim alın. Farklı bakış açıları, araştırma sorularını netleştirir ve makale kalitesini artırır.



Konferanslarda Görünürlük

Q1 ve Q2 dönemlerinde akademik toplantılara katılarak editörler ve araştırmacılarla iletişim kurun. Çalışmanızı sunmak görünürlüğünüzü artırır ve yeni iş birliklerini teşvik eder.

STRATEJI 9

Etkili Kapak Mektubu Hazırlayın

Kapak mektubu, makalenizin editöre ilk izlenimidir. Kısa, hedefe yönelik ve ikna edici olmalıdır.

1

Araştırmanın Önemi

Çalışmanızın alana katkısını iki- üç cümlede özetleyin.

2

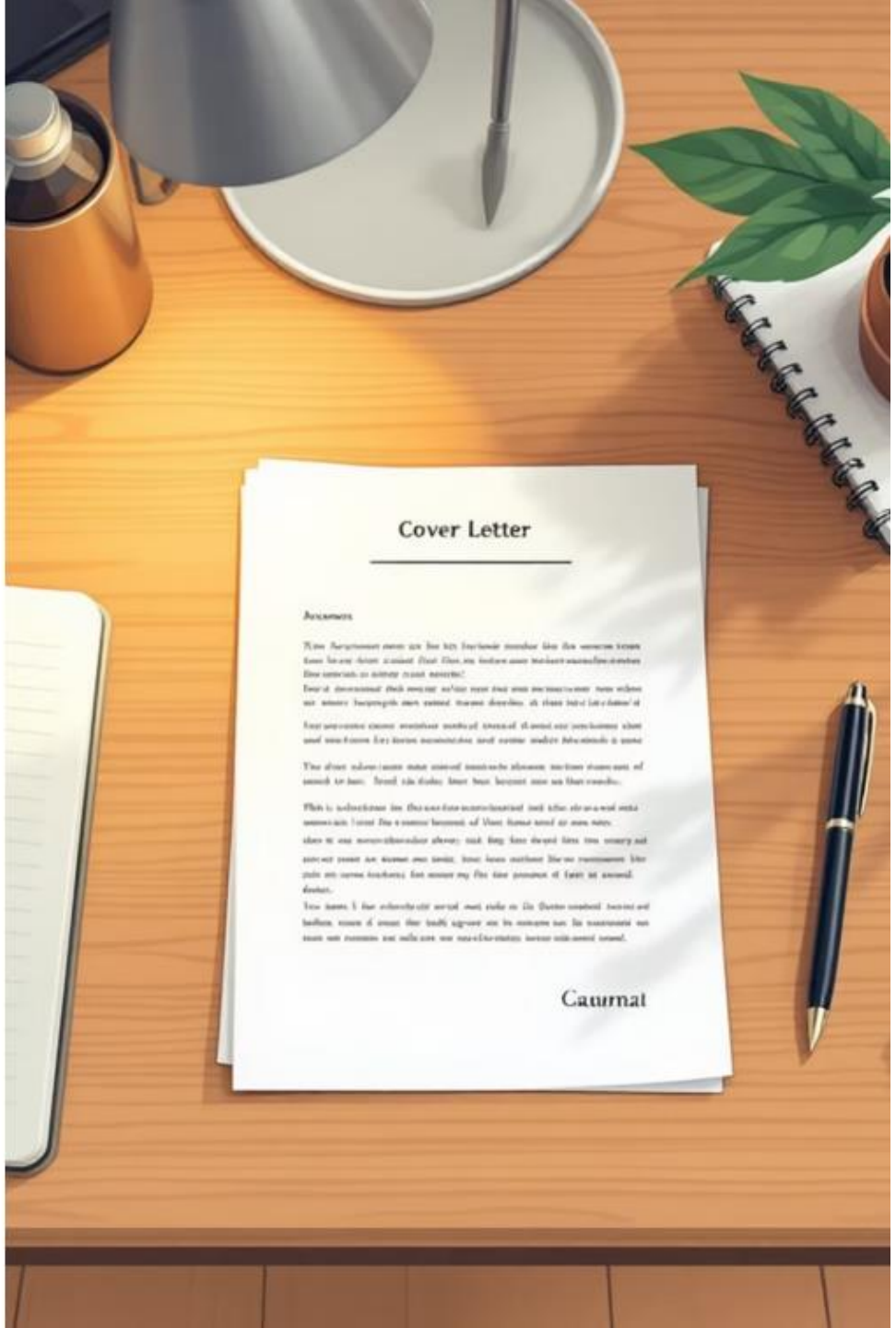
Dergi Uyumu

Makalenizin neden bu dergiye uygun olduğunu açıkça belirtin.

3

Değerlendirme Talebi

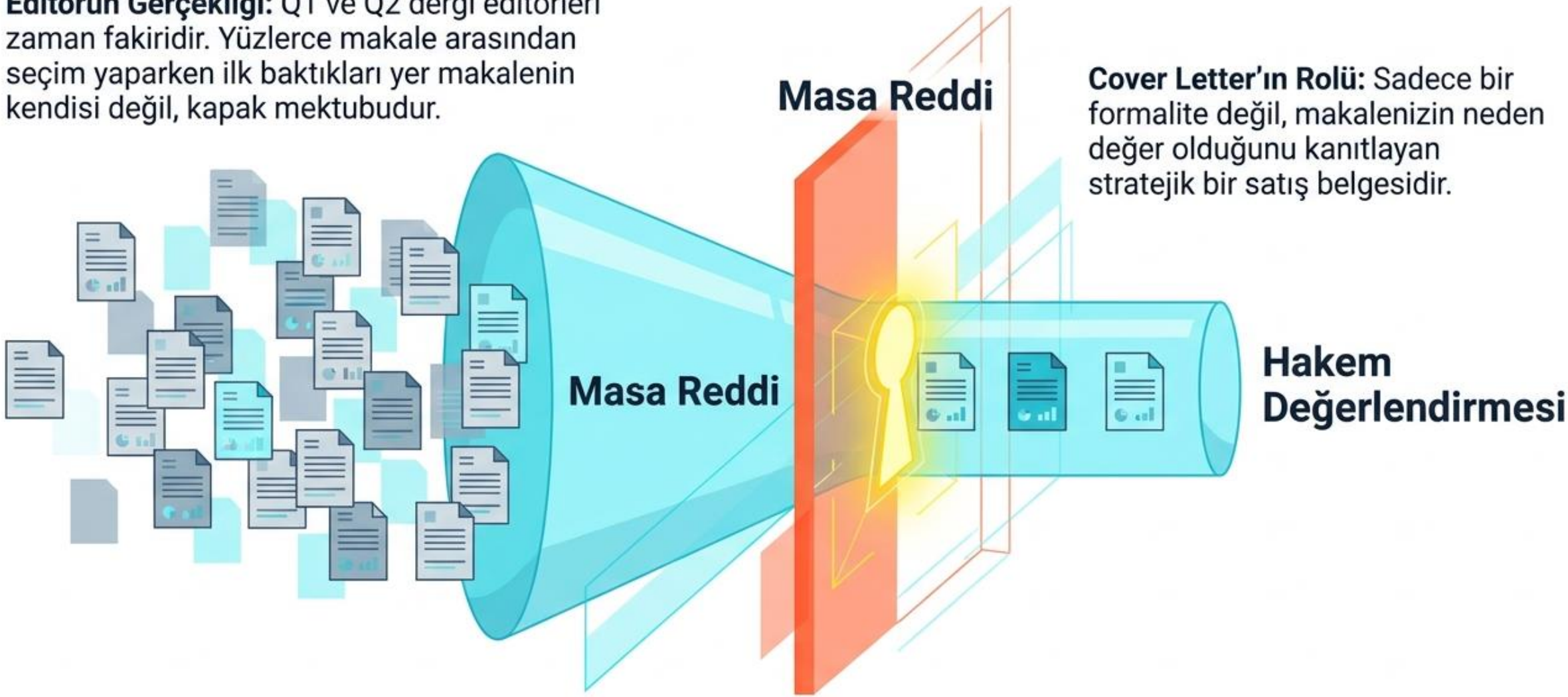
Çalışmanın hakem değerlendirmesine alınmasını kibarca talep edin.



İlk Büyük Engel: Masa Reddi

Editörün Gerçekliği: Q1 ve Q2 dergi editörleri zaman fakiridir. Yüzlerce makale arasından seçim yaparken ilk baktıkları yer makalenin kendisi değil, kapak mektubudur.

Cover Letter'ın Rolü: Sadece bir formalite değil, makalenizin neden değer olduğunu kanıtlayan stratejik bir satış belgesidir.



Etkili Bir Mektubun Makro Parametreleri



Uzunluk: Maksimum 1 Sayfa

Editörler destan okumak istemez. Mesajınızı tek bir bakışta algılanabilir formata sığdırın.



Hacim: 200–300 Kelime

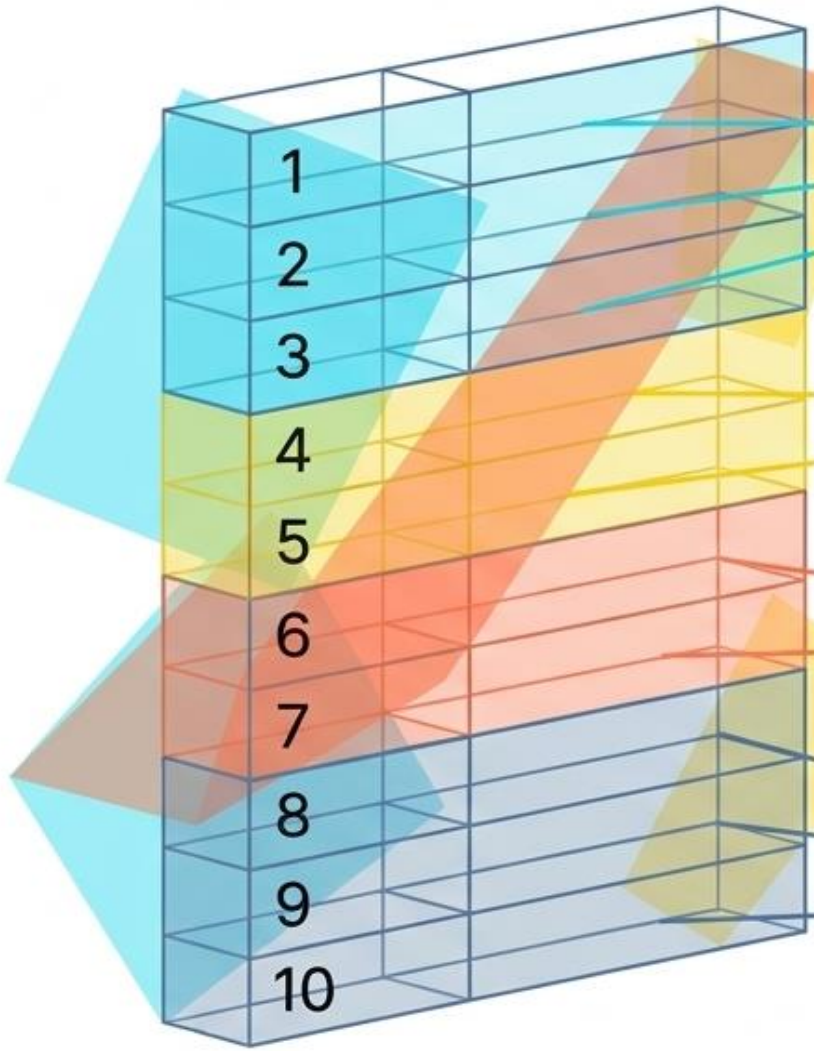
İdeal kelime aralığı. Gereksiz hiçbir ayrıntıya veya uzun paragraflara yer yoktur.



Odak: Aims and Scope Uyumu

Mektup, gönderilen hedef dergiye özel olarak sıfırdan tasarlanmalıdır. Jenerik şablonlar anında fark edilir.

Kazandıran Mektubun Anatomisi



Giriş
1. Editöre profesyonel hitap
2. Makale başlığı ve türü
3. Araştırmanın amacı ve önemi

Ana Argüman
4. Literatürdeki bilimsel boşluk
5. Çalışmanın özgünlüğü ve yenilikçi yönü

Kanıt ve Uyum
6. En önemli 2–3 bulgu
7. Makalenin derginin kapsamına uygunluğu

Formaliteler
8. Etik ve yayın beyanları
9. Tüm yazarların gönderim onayı
10. Profesyonel kapanış ve sorumlu yazar bilgileri

Teşhis Matrisi: Ne Yapmalı, Neden Kaçınmalı?

✓ Başarılı Stratejiler	✗ Sık Yapılan Hatalar
Hedef dergiye ve okuyucuya özel mektup yazmak	Her dergiye aynı şablon mektubu göndermek
Sadece en çarpıcı 2-3 bulguyu özel bir dille sentezlemek	Makalenin Abstract bölümünü birebir kopyala-yapıştır yapmak
Bilimsel önemi net, somut verilerle açıklamak	Araştırmanın yenilikçi yönünü açıklamamak, abartılı iddialarda bulunmak
Dergi kapsamı ile bağı açıkça kurmak	Dergiyle olan akademik uyumu belirtmeyi unutmak
Akademik, saygılı, ikna edici dil ve mükemmel gramer	Gereksiz uzunluk, yazım ve dil bilgisi hataları yapmak

STRATEJI 11 & 12

Revizyon, Trend Takibi ve Süreklilik

Reddedilme Bir Son Değildir

Makaleniz reddedilirse yılmayın. Hakem geri bildirimlerini yapıcı bir şekilde kullanarak çalışmayı geliştirin ve daha uygun bir dergiye yeniden gönderin. Pek çok yüksek etkili yayın, önceki reddedilme süreçlerinden güçlenerek çıkmıştır.

Alan Trendlerini ve Editör İlgi Alanlarını Takip Edin

Alanınızdaki güncel araştırma trendlerini ve hedef dergilerin editör kurulu ilgi alanlarını düzenli olarak izleyin. Makalenizi bu dinamiklere göre uyarlamak, yayın şansınızı önemli ölçüde artırır.

Editörlerin son yayınladığı özel sayıları ve çağrıları takip etmek stratejik bir avantaj sağlar.



Özet: Sistematik ve Hedefe Yönelik Yaklaşım

Q1 ve Q2 dergilerinde başarılı yayın yapma olasılığınızı önemli ölçüde artırmak için aşağıdaki temel ilkeleri benimseyin:

🎯 Hedef Belirle

Doğru dergiyi erken seç, kriterlerini öğren.

✍️ Kaliteli Yaz

Güçlü özet, özgün katkı ve sağlam metodoloji.

🤝 Ağ Kur

Meslektaş geri bildirimi ve konferans katılımı.

🔄 Süreci Yönet

Hakem sürecini takip et, revizyona açık ol.

MERSİN ÜNİVERSİTESİ 1992

Mersin Üniversitesi
ARAŞTIRMA DEKANLIĞI

TÜBİTAK

SAMARQAND DAVLAT UNIVERSITETI · SAMARKAND STATE UNIVERSITY ·
1420



Teşekkürler.

Sorularınız ve katkılarınız için açığız.